

**This Page Is Inserted by IFW Operations
and is not a part of the Official Record**

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- **BLACK BORDERS**
- **TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES**
- **FADED TEXT**
- **ILLEGIBLE TEXT**
- **SKEWED/SLANTED IMAGES**
- **COLORED PHOTOS**
- **BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS**
- **GRAY SCALE DOCUMENTS**

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

**As rescanning documents *will not* correct images,
please do not report the images to the
Image Problem Mailbox.**

THIS PAGE BLANK (USPTO)

IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

Applicants: JohanTHEVELEIN, et al.

Serial No.: ((Not yet assigned) - Claiming Priority of French Appln. No. FR 98 07463, filed June 12, 1998)

Filed: (on even date herewith)

For: NEW STRAINS "fil", STRESS-RESISTANT UNDER FERMENTATION AND/OR GROWTH CONDITIONS

10551 U.S. PTO
09/330262
06/11/99

CLAIM OF PRIORITY UNDER 35 USC 119

Assistant Commissioner for Patents
Washington, D.C. 20231

Dear Sir:

A formal claim for the benefit of priority of the filing date of June 12, 1998 of prior French Patent Application No. FR 98 07463, referred to in the Declaration and Power of Attorney document as required by 37 C.F.R. 1.63, is hereby requested for the above-identified application.

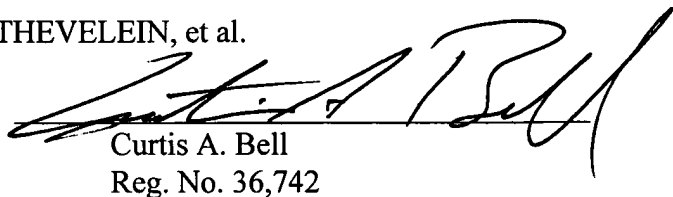
A certified copy of the priority document is being submitted herewith.

Acknowledgment of this Claim of Priority and the receipt of the certified copy of the priority document by the Examiner and/or the Office in the next official communication mailed from the U.S. Patent and Trademark Office, is respectfully requested.

Respectfully submitted,

JohanTHEVELEIN, et al.

By:


Curtis A. Bell
Reg. No. 36,742

JUNE 11, 1999
Date

HENDERSON & STURM
206 Sixth Avenue, Suite 1213
Des Moines, Iowa 50309-4076
Telephone: (515) 288-9589
Telefax: (515) 288-4860

EXPRESS MAIL CERTIFICATE

No. EJ 8745659114S

I hereby certify that this paper or fee is being deposited with the U.S. Postal Service using "Express Mail-Post Office to Addressee" service under 37 CFR 1.10 and addressed to the Commissioner of Patents and Trademarks, Washington, D.C. 20231 on 06-11-99

Theresa Conrad

EXPRESS MAIL CERTIFICATE

No. _____

I hereby certify that this paper or fee is being deposited with the U.S. Postal Service using "Express Mail-Post Office to Addressee" service under 37 CFR 1.10 and addressed to the Commissioner of Patents and Trade-Marks, Washington, D.C. 20531 on _____



BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ - CERTIFICAT D'ADDITION

COPIE OFFICIELLE

Le Directeur général de l'Institut national de la propriété industrielle certifie que le document ci-annexé est la copie certifiée conforme d'une demande de titre de propriété industrielle déposée à l'Institut.

Fait à Paris, le **26 MAI 1999**

Pour le Directeur général de l'Institut
national de la propriété industrielle
Le Chef du Département des brevets

Martine PLANCHE

INSTITUT
NATIONAL DE
LA PROPRIÉTÉ
INDUSTRIELLE

SIEGE
26 bis, rue de Saint Petersburg
75800 PARIS Cédex 08
Téléphone : 01 53 04 53 04
Télécopie : 01 42 93 59 30



26 bis, rue de Saint Pétersbourg
75800 Paris Cedex 08
Téléphone : (1) 42.94.52.52 Télécopie : (1) 42.93.59.30

Confirmation d'un dépôt par télécopie ☐

Cet imprimé est à remplir à l'encre noire en lettres capitales

REQUÊTE EN DÉLIVRANCE

| <p>DATE DE REMISE DES PIÈCES 12-06-98</p> <p>N° D'ENREGISTREMENT NATIONAL 98 07463-</p> <p>DÉPARTEMENT DE DÉPÔT 75</p> <p>DATE DE DÉPÔT 12.06.98</p> | | <p>1 NOM ET ADRESSE DU DEMANDEUR OU DU MANDATAIRE À QUI LA CORRESPONDANCE DOIT ÊTRE ADRESSÉE</p> <p>Cabinet PLASSERAUD 84 rue d'Amsterdam 75440 PARIS CEDEX 09</p> | | | | | | | | | |
|--|--------|---|----------------------|----------------|--------|---------------|----------------------|--|--|--|--|
| <p>2 DEMANDE Nature du titre de propriété industrielle</p> <p><input checked="" type="checkbox"/> brevet d'invention <input type="checkbox"/> demande divisionnaire</p> <p><input type="checkbox"/> certificat d'utilité <input type="checkbox"/> transformation d'une demande de brevet européen</p> <p style="text-align: center;">demande initiale</p> <p><input type="checkbox"/> brevet d'invention <input type="checkbox"/> certificat d'utilité n°</p> | | <p>n° du pouvoir permanent références du correspondant .. telephone</p> <p>GK/FCo</p> | | | | | | | | | |
| <p>Établissement du rapport de recherche <input type="checkbox"/> diffère <input checked="" type="checkbox"/> immédiat</p> <p>Le demandeur, personne physique, requiert le paiement échelonné de la redevance <input type="checkbox"/> oui <input type="checkbox"/> non</p> <p>Titre de l'invention (200 caractères maximum)</p> <p style="text-align: center;">Nouvelles souches "fil" résistantes au stress en condition de fermentation et/ou de croissance</p> | | | | | | | | | | | |
| <p>3 DEMANDEUR (S) n° SIREN code APE-NAF</p> <p>Nom et prénoms (souligner le nom patronymique) ou dénomination</p> <p style="text-align: center;">LESAFFRE ET CIE</p> | | <p>Forme juridique</p> <p style="text-align: center;">S.à.r.l.</p> | | | | | | | | | |
| <p>Nationalité (s) française</p> | | <p>Pays</p> | | | | | | | | | |
| <p>Adresse (s) complète (s)</p> <p style="text-align: center;">41 rue Etienne Marcel 75001 PARIS</p> | | <p>FRANCE</p> | | | | | | | | | |
| <p>4 INVENTEUR (S) Les inventeurs sont les demandeurs <input type="checkbox"/> oui <input checked="" type="checkbox"/> non Si la réponse est non, fournir une désignation séparée</p> | | | | | | | | | | | |
| <p>5 RÉDUCTION DU TAUX DES REDEVANCES <input type="checkbox"/> requise pour la 1ère fois <input type="checkbox"/> requise antérieurement au dépôt : joindre copie de la décision d'admission</p> | | | | | | | | | | | |
| <p>6 DÉCLARATION DE PRIORITÉ OU REQUÊTE DU BÉNÉFICE DE LA DATE DE DÉPÔT D'UNE DEMANDE ANTÉRIEURE</p> <table border="1" style="width:100%; border-collapse: collapse;"> <thead> <tr> <th style="width:25%;">pays d'origine</th> <th style="width:25%;">numéro</th> <th style="width:25%;">date de dépôt</th> <th style="width:25%;">nature de la demande</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td> </td> <td> </td> <td> </td> <td> </td> </tr> </tbody> </table> | | | | pays d'origine | numéro | date de dépôt | nature de la demande | | | | |
| pays d'origine | numéro | date de dépôt | nature de la demande | | | | | | | | |
| | | | | | | | | | | | |
| <p>7 DIVISIONS antérieures à la présente demande n° date n° date</p> | | | | | | | | | | | |
| <p>8 SIGNATURE DU DEMANDEUR OU DU MANDATAIRE (nom et qualité du signataire - n° d'inscription)</p> <p style="text-align: center;">G. KOCH (N° 92-1128)</p> | | <p>SIGNATURE DU PRÉPOSÉ À LA RÉCEPTION</p> <p>SIGNATURE APRES ENREGISTREMENT DE LA DEMANDE À L'INPI</p> | | | | | | | | | |

DÉSIGNATION DE L'INVENTEUR

(si le demandeur n'est pas l'inventeur ou l'unique inventeur)

DIVISION ADMINISTRATIVE DES BREVETS

26bis, rue de Saint-Petersbourg
75800 Paris Cédex 08
Tél. : 01 53 04 53 04 - Télécopie : 01 42 93 59 30

N° D'ENREGISTREMENT NATIONAL

98 07463

TITRE DE L'INVENTION :

"Nouvelles souches "fil" résistantes au stress en condition de fermentation et/ou de croissance"

LE(S) SOUSSIGNÉ(S)

**La Demanderesse
LESAFFRE ET CIE
ayant pour mandataire:**

**Cabinet PLASSERAUD
84, rue d'Amsterdam
75440 PARIS CEDEX 09**

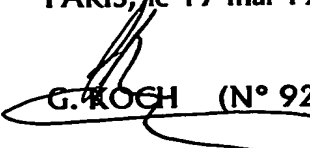
DÉSIGNE(NT) EN TANT QU'INVENTEUR(S) (indiquer nom, prénoms, adresse et souligner le nom patronymique) :

- | | |
|---|--|
| 1) THEVELEIN Johan Groeneweg 46 3001 HEVERLEE (Belgique) | 6) LEMAIRE Katleen Langendaallaan 36/1 3001 HEVERLEE (Belgique) |
| 2) GORWA Marie-Françoise 22 rue des Tours - Appartement 5 59800 LILLE (France) | 7) COLAVIZZA Didier 1 impasse Berthelot 59163 CONDE SUR ESCAUT (France) |
| 3) VAN DIJCK Patrick Lobbensestraat 119 3271 ZICHEM (Belgique) | 8) VERSELE Matthias Stenenbrug 10 3550 ZOLDER (Belgique) |
| 4) DUMORTIER Françoise Groeneweg 46 3001 HEVERLEE (Belgique) | 9) LOIEZ Annie 47, rue Roland 59800 LILLE (France) |
| 5) TEUNISSEN Aloys Tervuursesteenweg 308 B-3001 HEVERLEE (Belgique) | |

NOTA : A titre exceptionnel, le nom de l'inventeur peut être suivi de celui de la société à laquelle il appartient (société d'appartenance) lorsque celle-ci est différente de la société déposante ou titulaire.

Date et signature (s) du (des) demandeur (s) ou du mandataire

PARIS, le 17 mai 1999


G. ROCH (N° 92-1128)

DOCUMENT COMPORTANT DES MODIFICATIONS

| PAGE(S) DE LA DESCRIPTION OU DES REVENDEICATIONS OU PLANCHE(S) DE DESSIN | | | R.M.* | DATE DE LA CORRESPONDANCE | TAMPON DATEUR DU CORRECTEUR |
|---|--------------|------------|-------|---------------------------------|-----------------------------------|
| Modifiée(s) | Supprimée(s) | Ajoutée(s) | | | |
| 54 | | | α | 12.11.98 | 16 NOV. 1998 - SR |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |

**Nouvelles souches « fil » résistantes au stress
en condition de fermentation et/ou de croissance**

La présente invention a pour objet de nouvelles souches eucaryotes, de préférence de levures, présentant le nouveau phénotype fil, c'est-à-dire ayant la propriété inattendue de conserver une résistance importante au stress en phase de fermentation et/ou de croissance, alors qu'elles ont gardé un métabolisme respiratoire et un métabolisme fermentaire normaux sur sucre fermentescible tel que le glucose. Un autre objet de l'invention est le procédé d'obtention de telles souches. Encore un objet de l'invention est l'utilisation de telles souches pour l'obtention de levures de boulangerie plus résistantes au séchage, plus adaptées à la préparation de pâtes congelées et/ou pour d'autres applications où une forte résistance au stress durant la phase de fermentation est recherchée.

Les levures du genre *Saccharomyces* sont utilisées comme agent de fermentation en boulangerie, en brasserie, vinification, distillerie et dans d'autres domaines. Leur utilisation industrielle repose sur leur capacité à produire du dioxyde de carbone à partir des sucres comme le glucose, le fructose, le saccharose ou le maltose, présents ou ajoutés dans la pâte ou dans le moût. Le pouvoir fermentatif est un critère important de qualité de la levure.

La sélection des souches, les conditions de production des levures vivantes ont été optimisées au fil des années de manière à obtenir des levures ayant une bonne capacité fermentaire et une bonne résistance au stress dans certaines conditions. Malheureusement, si les cellules de levure récoltées dans des conditions équivalentes à celles d'une phase stationnaire montrent un niveau de résistance élevé aux différents types de stress tels que la chaleur, la congélation et le séchage, cette résistance au stress est perdue quand on initie une phase de fermentation par ajout de sucre fermentescible. Les cellules perdent alors rapidement leur propriété de résistance au stress, ce qui entraîne une réduction de leur potentiel fermentatif dans des conditions de stress, ce qui est un inconvénient majeur dans la plupart des applications industrielles des levures.

La présente invention est relative à de nouvelles souches eucaryotes et notamment à de nouvelles souches de levure pouvant être obtenues par mutation ou transformation par ADN recombinant, appelées souches « fil ». L'emploi des lettres minuscules signifie qu'elles n'ont pas le phénotype FIL qui est le phénotype normal

5 signifiant « Fermentation-Induced Loss of stress resistance », c'est-à-dire perte de résistance au stress induite par la fermentation. Les nouvelles souches fil ont un phénotype « deficient in Fermentation-Induced Loss of stress resistance » c'est-à-dire qu'elles ont une déficience dans la perte de résistance au stress induite par la fermentation, sans perte ou altération gênante de leur potentiel de fermentation et/ou de

10 croissance. En d'autres termes les nouvelles souches conservent en phase de métabolisme actif un haut niveau de résistance au stress, comparable à celui des cellules qui ne sont pas en fermentation ou en croissance, c'est-à-dire qui sont en phase stationnaire. Cette propriété nouvelle des nouvelles souches est d'autant plus inattendue que le maintien d'une forte résistance au stress est obtenu sans perte

15 simultanée significative de leurs capacités de croissance et de fermentation.

Tous les organismes unicellulaires eucaryotes (levures, moisissures, ...) sont confrontés à des conditions de stress alors que leur utilisation industrielle exige qu'ils soient en phase métabolique active ou qu'ils puissent entrer très rapidement dans un métabolisme très actif. Ces deux exigences, résistance au stress et métabolisme actif,

20 ont toujours été considérées comme contradictoires et contraires à l'équilibre biologique naturel. Par exemple, Attfield, dans sa revue sur la résistance au stress des levures du genre *Saccharomyces* publiée en décembre 1997 dans *Nature Biotechnology*, 15, pp.1351-1357, écrit que la conciliation de ces deux exigences est contraire au « biological design » c'est-à-dire à l'équilibre naturel fondamental ou

25 encore à la conception biologique originelle des souches de levure. En conséquence, l'obtention de nouvelles souches eucaryotes et notamment de levures présentant les propriétés inattendues du phénotype fil représente un progrès considérable. Si on prend l'exemple des levures de panification, il est bien connu que plus une biomasse cellulaire aura été récoltée dans des conditions proches d'une phase exponentielle de

30 croissance, plus son potentiel fermentatif sera élevé, mais moins elle résistera au stress d'un séchage ou d'une congélation. Il est en outre bien connu que même si on

ensemence des pâtons panaires destinés à être congelés avec une biomasse récoltée dans des conditions proches de la phase stationnaire et en conséquence résistante au stress, la reprise de fermentation dans le pâton dès le pétrissage et pendant tout le temps avant la congélation à cœur du pâton induira une perte de cette résistance au stress. Les nouvelles souches ayant le phénotype fil permettent d'apporter un progrès à la résolution de ces difficultés inhérentes à l'équilibre fondamental biologique des cellules eucaryotes.

De nombreux travaux ont été réalisés ces dernières années pour comprendre les mécanismes d'action des facteurs de stress sur la cellule et la nature de la réponse cellulaire, notamment chez *Saccharomyces cerevisiae*, quand la levure est soumise à différents stress chimiques ou physiques. En général, la résistance apparaît comme un phénomène complexe impliquant plusieurs facteurs jouant des rôles distincts. Ces facteurs, leurs mécanismes d'action et leur importance relative sont encore mal compris.

Il est bien connu que les cellules de la levure *Saccharomyces cerevisiae* deviennent résistantes au stress durant la phase stationnaire ou quand elles sont cultivées à un niveau de croissance faible sur une source de carbone non fermentescible ou avec un apport limité en sucre fermentescible et/ou en azote. Cependant, cette forte résistance au stress disparaît quand un sucre fermentescible tel que le glucose ou le maltose est apporté aux cellules qui entrent alors en fermentation rapide ou en croissance (Attfield, 1997, Nature Biotechnology, 15, pp.1351-1357 ; de Winde et al., 1997, Yeast Stress Responses, Ed. Springer, pp.7-52 ; Werner-Washburne et al., 1993, Microbiol.Rev., 57, pp.383-401).

La voie métabolique Ras-AMPC (protéines Ras - Adénosine MonoPhosphate cyclique) est connue pour son influence dramatique sur la résistance à différents types de stress dans les cellules de levure. Ceci a été montré en ce qui concerne la résistance à la chaleur (Iida, 1988, Mol. Cell. Biol., 8, pp.5555-5560 ; Matsumoto et al., 1985, Yeast, 1, pp.15-24 ; Shin et al., 1987, Mol. Cell. Biol., 7, pp.244-250), en ce qui concerne la résistance à des congélations et décongélations successives (Park et al., 1997, Appl.

Envir. Microbiol., 63, pp.3818-3824), et en ce qui concerne la résistance au sel (Hitara et al., 1995, Mol. Gen. Genet., 249, pp.257-264).

C'est une voie élaborée et complexe qui contrôle le niveau d'AMPc et en conséquence l'activité de la protéine kinase A des cellules de levure (Broach et Deschenes, 1990 ,
 5 Adv. Cancer Res., 54, pp.79-139 ; Thevelein, 1991, Mol. Microbiol., 5, pp.1301-1307 ;
 Thevelein, 1992, Antonie Leeuwenhoek, J. Microbiology, 62, pp.109-130). Dans la
 levure, l'AMPc est synthétisée par une enzyme, l'adénylate cyclase, qui est codée par
 le gène *CYR1/CDC35* (Kataoka et al., 1985, Cell, 43, pp.493-505). Le niveau de
 l'AMPc est notamment régulé par deux phosphodiesterases, codées par les gènes
 10 *PDE1* et *PDE2* et qui l'hydrolysent (Nikawa et al., 1997, Mol. Cell. Biol., 7, pp.3629-
 3636 ; Sass et al., 1986, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 83, pp.9303-9307). Par ailleurs,
 l'activité de l'adénylate cyclase est fortement dépendante de l'activité des protéines
 Ras (Toda et al., 1985, Cell, 40, pp.27-36).

Les protéines Ras sont des protéines G. Elles sont actives quand elles sont liées à une
 15 GTP (Guanosine TriPhosphate), et inactives dans un état lié à une GDP (Guanosine
 DiPhosphate). L'échange de GDP en GTP sur les protéines Ras est stimulé par les
 protéines Cdc 25 et Sdc 25 d'échange des nucléotides guanine (Boy-Marcotte et al.,
 1996, Mol. Biol. Cell, 7, pp.529-539 ; Camonis et al., 1986, EMBO J., 5, pp.375-380).
 Les protéines Ras possèdent une activité GTPase intrinsèque, qui est stimulée par les
 20 protéines Ira1 et Ira2 et qui est responsable de la régulation aval de leur activité.
 L'AMPc active la protéine kinase A AMPc dépendante (protéine kinase A dépendante
 de l'AMPc appelée ci-après PKA) qui est composée de sous-unités catalytiques codées
 par les gènes *TPK1*, *TPK2* et *TPK3* et d'une sous-unité de régulation codée par le gène
BCY1 (Toda et al., 1987, Mol. Cell. Biol., 7, pp.1371-1327 ; Toda et al., 1987, Cell,
 25 50, pp.277-287). La liaison de l'AMPc à la sous-unité inhibitrice Bcy1 entraîne la
 dissociation de sa liaison avec lesdites sous-unités catalytiques, ce qui entraîne
 l'activation de ces sous-unités catalytiques. Celles-ci sous forme activée phosphorylent
 un certain nombre de protéines cibles dont quelques unes ont été identifiées, telle la
 tréhalase. L'activité de la PKA (protéine kinase A activée par l'AMPc) est essentielle
 30 pour la croissance des cellules de levure. Lorsque l'activité de la PKA est d'une
 manière ou d'une autre fortement réduite, par exemple par une forte diminution de

l'AMPc, les cellules arrêtent leur phase de croissance et entrent de manière permanente en phase stationnaire.

En d'autres termes, la PKA, quand elle est activée, entraîne la croissance des levures et est un médiateur de différents processus de régulation métabolique entraînant notamment une baisse rapide de la teneur en tréhalose et une baisse rapide de la teneur en protéines de choc thermique, c'est-à-dire une disparition de facteurs favorables à la résistance au stress. Au contraire, lorsque l'activité de la PKA est fortement réduite, les cellules entrent en phase stationnaire et acquièrent une forte résistance au stress. Comme indiqué ci-dessus, cela a été montré pour différents types de stress.

- 5
- 10 C'est l'étude de ces mécanismes de la voie métabolique complexe Ras-AMPc qui a conduit Attfield à établir que l'obtention d'un phénotype correspondant au maintien d'une forte résistance au stress pour des cellules en métabolisme actif après inoculation sur un milieu contenant des sucres fermentescibles allait contre le « biological design » des souches, c'est-à-dire contre l'équilibre naturel.
- 15 Des mutants dans la voie Ras-AMPc-protéine kinase A ont été identifiés, ayant constitutivement une résistance au stress élevée durant la croissance. Ceci a été montré en ce qui concerne la résistance à la chaleur (Cameron et al., 1988, Cell, 53, pp.555-566 ; Hottiger et al., 1989, FEBS Lett., 255, pp.431-434 ; Shin et al., 1987, Mol. Cell. Biol., 7, pp.244-250) et à la congélation/décongélation (Park et al., 1997, Appl. Envir. Microbiol., 63, pp.3818-3824). Cependant de tels mutants ont une phase de latence beaucoup plus longue lors du démarrage de la fermentation et un taux de croissance réduit (Ma et al., 1997, Microbiol., 143, pp.3451-3459) , ce qui exclut leur utilisation industrielle notamment en levures de boulangerie où un départ rapide en fermentation est essentiel.
- 20
- 25 Certains de ces mutants voient d'autres propriétés importantes pour leur utilisation industrielle affectées négativement. Par exemple, les mutants *ras2* sont incapables d'utiliser pour leur croissance une source de carbone non fermentescible, l'éthanol par exemple (Tatchell et al., 1985, Proc. Natl. Acad. Sci., 82, pp.3785-3789). En d'autres termes, il semble que ces mutants gardent constitutivement une forte résistance au
- 30 stress car ils sont incapables de rentrer en phase métabolique vraiment active.

A l'opposé, les mutants dérégulés ayant un niveau élevé d'AMPc ou une activité PKA non limitée montrent un niveau très faible à la fois des protéines de choc thermique et du tréhalose, quelles que soient les conditions de culture et donc également en phase stationnaire.

- 5 L'étude de ces mutants qui n'ont aucun intérêt industriel confirme bien les conclusions de la revue générale d'Attfield déjà citée sur la résistance au stress, selon laquelle par génétique classique il paraît improbable d'obtenir des souches industrielles utiles et qu'il faut alors se tourner vers les technologies d'ADN recombinant. Cependant les données théoriques permettant une telle approche sont insuffisantes pour obtenir le
- 10 résultat nouveau recherché. Ceci est notamment illustré par l'ensemble des travaux sur la délétion du ou des gènes codant pour une tréhalase.
- Il est bien connu que chez la levure de boulangerie une forte résistance au stress, par exemple à la chaleur, à la congélation ou aux hautes pressions, est corrélée à une teneur élevée en tréhalose (Attfield, 1997, *Nature Biotechnology*, 15, pp.1351-1357 ; De
- 15 Virgilio et al, 1994, *Eur. J. Biochem.*, 219, pp.179-186 ; Iwakashi et al., 1997, *Lett. Appl. Microbiol.*, 25, pp.43-47 ; Wiemken, 1990, Antonie Leeuwenhoek, J. Microbiology, 58, pp.209-217). Le tréhalose est un dioside présent à de fortes concentrations dans de nombreuses formes vivantes dans la nature (Van Laere, 1989, *FEMS Microbiol. Rev.*, 63, pp.201-210 ; Wiemken 1990, Antonie Leeuwenhoek, J.
- 20 *Microbiology*, 58, pp.209-217). Il possède des propriétés remarquables et apparemment spécifiques de protection contre les traitements agressifs pour toute une série de structures biologiques (Crowe et al., 1992, *Anhydrobiosis Annu. Rev. Physiol.*, 54, pp.579-599). Le tréhalose est accumulé rapidement durant la phase précédant la mort des cellules de levure.
- 25 L'initiation de la fermentation par addition d'une source de carbone fermentescible est associée à une mobilisation rapide du tréhalose (van der Plaats, 1974, *Biochem. Biophys. Res. Commun.*, 56, pp.580-587), c'est-à-dire à son utilisation métabolique et à sa disparition rapide. Ainsi, une approche logique pour maintenir la résistance au stress durant le démarrage de la fermentation a été de cloner et de déléter le gène
- 30 *NTH1*, codant pour la tréhalase neutre (Kopp et al., 1993, *J. Biol. Chem.*, 268, pp.4766-4774) qui est l'enzyme responsable de la mobilisation du tréhalose, de

manière à conserver le tréhalose des cellules. Il a été revendiqué que la résistance au stress de la levure pouvait être améliorée par la délétion de ce gène (demandes de brevet ou brevets EP 0451896 ; Hino et al., EP 0838520). Cependant, en empêchant la mobilisation du tréhalose par la délétion du gène *NTH1*, on n'évite pas la perte rapide de résistance au stress durant l'initiation de la fermentation (Van Dick et al., 1995, Appl. Environ. Microbiol., 61, pp.109-115).

Ceci est probablement dû notamment à la mise en œuvre d'autres facteurs de résistance tels que les protéines de choc thermique, qui disparaissent aussi rapidement au début de la fermentation (Crauwels et al., 1997, Microbiol. 143, pp.2627-2637 ; de Winde et al., 1997, Yeast Stress Responses, Ed. Springer, pp.7-52 ; Praekelt et Maecock, 1990, Mol. Gen. Genet., 223, pp.97-106 ; Werner-Washburne et al., 1989, J. Bacteriol., 171, pp.2680-2688).

Ainsi, la modification du métabolisme du tréhalose par les méthodes de génie génétique n'a pas permis d'améliorer la résistance au stress des levures et n'a pas donné de résultats pratiques pour le développement de souches industrielles résistantes au stress durant la phase de fermentation (Attfield, 1997, Nature Biotechnology, 15, pp.1351-1357).

Une autre approche utilisant les techniques d'ADN recombinant ou génie génétique a été d'essayer d'augmenter la résistance au stress des levures par production de protéines antigel présentes dans le sang de certains poissons vivant dans des eaux très froides. McKown et al., (Cryobiology, 1991, 28, pp.474-482) ont exprimé le gène codant pour une protéine antigel dans *Saccharomyces cerevisiae* afin de lui faire produire de manière intracellulaire une protéine chimère antigel. Cependant cette approche n'a pas donné de résultats satisfaisants, car le taux de survie de la levure après congélation est encore très faible.

On peut également citer de nombreux travaux japonais qui ont consisté à sélectionner des souches non conventionnelles pour la fermentation panaria mais ayant des propriétés intéressantes de résistance au stress, et à les croiser avec des levures de panification. Cette approche a eu des résultats limités.

Ainsi, il n'a pas été possible jusqu'à présent d'obtenir des levures ayant la propriété de conserver une résistance au stress élevée simultanément à une bonne croissance et une bonne activité fermentative.

En conclusion, on peut dire, en accord notamment avec les conclusions sur la revue générale sur le stress des levures publiée dans Nature Biotechnology en 1997, que :

- 5
 - le problème majeur est que la réponse naturelle de cellules, quand elles sont mises en présence d'un substrat fermentescible, est de passer en phase métabolique active et donc d'abaisser très rapidement leurs facteurs de résistance au stress, alors que les conditions industrielles nécessitent métabolisme actif et forte résistance au stress ;
- 10
 - ce problème était non résolu ;
 - les travaux de génétique classique n'ont apporté qu'une amélioration limitée de la résistance des cellules en conditions d'utilisation industrielle ;
 - une solution de ce problème non résolu semblait seulement pouvoir être espérée à travers les technologies du génie génétique.
- 15

Malheureusement, en dépit de la connaissance complète du génome de la levure qui a été entièrement séquencé et des connaissances qui s'accumulent sur les fonctions des gènes mais qui sont encore très incomplètes, on ne connaît que très partiellement comment les propriétés industriellement décisives sont gouvernées génétiquement et physiologiquement. Les connaissances actuelles sont donc insuffisantes pour permettre
- 20

des manipulations génétiques adéquates pour arriver à une solution du problème majeur ci-dessus défini. Ceci est d'autant plus vrai que les voies métaboliques concernées comme la voie Ras-AMPc sont très complexes comme illustré ci-dessus, et sont probablement nombreuses. La voie Ras-AMPc-PKA n'est pas la seule voie métabolique à considérer.
- 25

La présente invention de manière étonnante est arrivée à surmonter ces problèmes d'une façon à la fois simple et efficace. Elle montre qu'il est possible contrairement à ce qui était généralement admis, d'obtenir des souches ayant un phénotype dont il était cru qu'il ne pouvait pas exister. Ce phénotype contraire au « biological design » (c'est-à-dire à l'équilibre naturel) a été appelé phénotype fil.

BREVE DESCRIPTION DE L'INVENTION

La présente invention a pour objet un procédé d'obtention de nouvelles souches eucaryotes, de préférence des nouvelles souches de levure, et encore de préférence des souches de *Saccharomyces cerevisiae* conservant une résistance au stress en présence de sucre fermentescible tel que le glucose, caractérisé par le fait qu'il comprend les étapes suivantes :

on soumet les cellules d'une souche de départ à un traitement mutagène classique,

on cultive les cellules ayant subi ledit traitement mutagène jusqu'à obtention d'une phase stationnaire,

on incube lesdites cellules en phase stationnaire en présence d'au moins un sucre fermentescible choisi dans le groupe comprenant le glucose, le maltose et le saccharose, ce sucre étant présent en une quantité déterminée de manière à ce que les cellules passent en état de métabolisme actif (fermentation et/ou croissance) de ce sucre,

on soumet lesdites cellules en état de métabolisme actif à un ou plusieurs stress conduisant à un taux de mortalité d'au moins 99% par rapport à la population de départ,

on isole les cellules survivantes et

on sélectionne celles de ces cellules survivantes qui répondent aux critères suivants qui caractérisent le phénotype fil, à savoir :

- une croissance, évaluée par une production ou un rendement de production de biomasse sur sucre dans un temps donné ou par un taux de croissance, en conditions identiques de culture, au moins égale à 80% de la souche de départ, et de préférence au moins égale à 90% de la souche de départ,
- un dégagement de CO₂, ou une production de métabolite, en conditions identiques, au moins égal à 80%, et de préférence au moins égal à 90% de la souche de départ,
- une résistance au stress, correspondant à un taux de survie au moins 2 fois supérieur, de préférence au moins 3 fois supérieur, plus préférentiellement au moins 5 fois supérieur, et encore plus préférentiellement au moins 10 fois supérieur au

taux de survie de la souche de départ, dans des conditions identiques de phase correspondant à une croissance ou un métabolisme actif suivi d'un choc thermique d'au moins 20 minutes à 52°C, ou au moins 1,5 fois supérieur, de préférence au moins 2 fois supérieur, plus préférentiellement au moins 3 fois supérieur, et encore
 5 plus préférentiellement au moins 5 fois supérieur au taux de survie de la souche de départ, dans des conditions identiques de phase de croissance suivies d'une congélation d'une durée d'au moins 24 heures à -20°C ou à une température inférieure,

- maintien de l'ensemble de ces propriétés après cultures répétées sur milieu non
 10 sélectif, tel que le milieu YPD, de manière à vérifier que le phénotype fil obtenu par mutation est parfaitement stable et permanent.

Suivant une particularité de l'invention, les souches fil sélectionnées ont de préférence la propriété de conserver, en phase de croissance et/ou fermentation sur sucres fermentescibles, au moins 50%, de préférence au moins 60%, plus préférentiellement
 15 au moins 70%, et encore plus préférentiellement au moins 80% de leur taux de survie par rapport au taux de survie en phase stationnaire mesuré dans de mêmes conditions après un choc à la chaleur ou à la congélation.

Dans une forme particulière de réalisation du protocole d'obtention des nouvelles souches fil, les cellules obtenues après un traitement de mutagenèse et en phase
 20 stationnaire sont introduites dans des pâtons de 0,5g composés d'eau (environ 42,5%), de farine (environ 56,5%), de NaCl (environ 1%), à raison de $4 \cdot 10^8$ cellules par g de pâton. Lesdits pâtons subissent une première fermentation de 30 minutes à 30°C, puis sont soumis à au moins 100 cycles de congélation/décongélation.

La présente invention a aussi pour objet de nouvelles souches de levure appartenant au
 25 genre *Saccharomyces* et de préférence *Saccharomyces cerevisiae* ayant le phénotype fil, susceptibles d'être obtenues par le procédé décrit ci-dessus ou une de ses variantes de réalisation.

En particulier, ces nouvelles souches de levure présentant le phénotype donnent de préférence un taux de survie, en phase de croissance sur sucre fermentescible, d'au
 30 moins 50%, de préférence au moins 60%, encore de préférence au moins 70%, et

encore plus préférentiellement au moins 75%, après traitement thermique de 20 minutes à 52°C, la phase de croissance étant définie :

- pour les souches de type laboratoire (souches haploïdes ou diploïdes vraies en général auxotrophes) et tous les ségrégeants de souches industrielles, comme une
5 remise en culture sur sucre fermentescible (glucose) de 30 minutes à 30°C après la phase stationnaire.
 - pour les souches de type industriel (souches aneuploïdes et polyploïdes) comme une
remise en culture sur sucre fermentescible (glucose) de 10 minutes à 30°C après la phase stationnaire.
- 10 Les nouvelles souches de levure selon l'invention sont toutes les nouvelles souches de levure de type laboratoire (souches haploïdes ou diploïdes vraies, en général auxotrophes) et tous les ségrégeants de souches industrielles, dont la stabilité en congélation dans des pâtons contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 1 g de saccharose, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160 mg de matière sèche de la souche
15 considérée, définie par le ratio entre le dégagement de CO_2 à 30° après 1 mois de conservation à -20°C et le dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de conservation à -20°C, est au moins supérieure à 60%, de préférence au moins supérieure à 70 % et de préférence encore au moins supérieure à 80%.
- Les nouvelles souches de levure selon l'invention sont également toutes les nouvelles
20 souches industrielles de levure (souches aneuploïdes ou polyploïdes) dont la stabilité en congélation en pâtons contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160 mg de matière sèche de la souche considérée, mesurée par le ratio entre le dégagement CO_2 à 30°C après 1 mois de conservation à -20°C et le
dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de conservation à -20°C, est au moins
25 supérieure à 80%, de préférence au moins supérieure à 85% et de préférence encore au moins supérieure à 90%.
- Ces tests de stabilité en congélation correspondent respectivement aux tests C2 et C1 décrits ci-après. Avant congélation à -20°C, ces pâtons sont incubés à 30°C pendant 30 minutes (test C1 sur levure industrielle) ou 60 minutes (test C2 sur souches de
30 laboratoire ou sur ségrégeants).

De **préférence**, les nouvelles souches de levure selon l'invention permettent l'obtention de levures **sèches à partir** de biomasse récoltée en phase exponentielle de croissance ou en phase **proche de la** phase exponentielle de croissance, présentant une perte de **dégagement gazeux après** séchage au plus égale à 67%, de **préférence au plus égale à**
 5 **50%, et encore de préférence au plus égale à 30%** de la perte de dégagement gazeux après **séchage des** levures obtenues avec la souche de départ (non mutée) correspondante ou à **défaut** avec une souche témoin ayant les mêmes caractéristiques.

Les nouvelles souches industrielles de levure selon l'invention ont en particulier la propriété de **permettre** l'obtention de levures très actives dont la teneur en azote par
 10 rapport à la matière **sèche** est d'environ 9%, et qui perdent moins de 30% de leur activité fermentative **au séchage** et de **préférence** moins de 25% et encore de **préférence** moins de 20%.

La présente invention a aussi pour objet les nouvelles souches ayant le phénotype fil :

- PVD1150 = M5 fil1 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724
 15 **PARIS cedex**, sous le n° I-2031, selon le Traité de Budapest.
- KL1 = W303 fil2 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724 **PARIS**
cedex, sous le n° I-2032, selon le Traité de Budapest.
- FD51 = HL816 fil300 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724
PARIS cedex, sous le n° I-2033, selon le Traité de Budapest.
- 20 - FDH16-22 = HL822 fil300 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724
PARIS cedex, sous le n° I-2034, selon le Traité de Budapest.
- AT25 = S47 fil400 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724 **PARIS**
cedex, sous le n° I-2035, selon le Traité de Budapest.
- AT28 = S47 fil 500 déposée au C.N.C.M. 25 rue du Docteur Roux, F-75724 **PARIS**
 25 **cedex**, sous le n° I-2036, selon le Traité de Budapest.

Une autre objet de l'invention est un gène muté ou des gènes mutés conférant le phénotype fil, ce ou ces gènes étant obtenus par les méthodes de la biologie moléculaire à partir des souches eucaryotes fil obtenues par le procédé d'obtention de mutants fil.

En **particulier**, ledit **gène** est le gène ou les gènes qui confèrent le phénotype fil à l'une des **souches** fil qui **exemplifient** la présente invention et qui ont été déposées au C.N.C.M. Par **exemple**, ledit gène est le gène *CDC35 = CYR1* portant une mutation conférant le phénotype fil.

- 5 **Avantageusement**, la dite mutation sur le gène *CDC35 = CYR1* est un changement d'une base G en une base A dans la région du gène *CDC35/CYR1* codant pour le site catalytique de l'enzyme, équivalent à un changement d'un acide aminé acide (acide glutamique) en un acide aminé basique (lysine) en position 1682 de la protéine. Cette mutation est responsable du phénotype fil de la souche PVD1150 = M5 fil1.
- 10 Ce gène peut aussi être le gène YDL 035C selon la nomenclature définie dans le projet de séquençage du génome de la levure publié dans Nature, 1992, 357, pp.38-44 ci-après appelé *GPR1* portant une mutation conférant le phénotype fil et plus particulièrement la mutation de la souche KL1 = W303 fil2. Ce gène peut aussi être le gène muté conférant le phénotype fil à l'une des souches C.N.C.M. I-2033, I-2035, I-15 2036.

De manière générale, la présente invention concerne tout gène codant pour une protéine ayant des propriétés similaires ou équivalentes aux protéines codées par des gènes définis ci-dessus comme portant une mutation conférant le phénotype fil, c'est-à-dire tout gène appartenant à la famille des gènes :

- 20 - codant pour une protéine ayant une fonction comparable ou équivalente à celle d'une protéine codée par un des gènes définis ci-dessus comme portant une mutation qui confère le phénotype fil chez la levure ou un autre eucaryote, une fonction comparable étant définie comme la commande des mêmes mécanismes dans la même voie métabolique ou une voie métabolique équivalente,
- 25 - codant pour des protéines associées à la protéine codée par un des gènes portant une mutation qui confère le phénotype fil,
- codant pour des protéines ayant des similarités de séquence, c'est-à-dire au moins 60% d'homologie, de préférence au moins 70% d'homologie et encore de

préférence au moins 80% d'homologie avec la protéine codée par l'un des gènes portant une mutation conférant le phénotype fil,

et portant une mutation conférant le phénotype fil.

- 5 Par exemple, ce gène peut coder pour une protéine associée à la protéine codée par le gène *GPR1* défini ci-dessus, et notamment ce gène peut être le gène *GPA2* de la levure portant une mutation conférant le phénotype fil.

De manière générale, la présente invention n'est pas limitée aux souches de levure et concerne toute souche eucaryote portant une mutation fil, c'est-à-dire possédant le phénotype fil.

- 10 Ladite souche eucaryote est avantageusement transformée de manière à ce qu'au moins certains des allèles d'un gène susceptible un fois muté de conférer le phénotype fil, portent la mutation conférant ledit phénotype fil. Ladite souche eucaryote est de préférence une souche de levure.

- 15 L'invention concerne également l'utilisation de souches de levure mutées et sélectionnées pour leur phénotype fil par le procédé objet de l'invention ou de souches transformées de manière à leur conférer ledit phénotype, pour l'obtention de levures de panification destinées aux pâtes congelées.

La présente invention a aussi pour objet l'application desdites souches mutées et sélectionnées ou transformées pour l'obtention de levures sèches de panification.

- 20 La présente invention a aussi pour objet l'application desdites souches mutées et sélectionnées ou transformées pour l'obtention de levures de brasserie, de levures de vinification, ou de levures destinées à la production d'alcool.

- 25 De manière générale, la présente invention concerne l'application des nouvelles souches eucaryotes présentant le phénotype fil dans toute condition industrielle nécessitant à la fois des propriétés de résistance au stress et de métabolisme actif desdites souches eucaryotes.

DESCRIPTION DETAILLEE

L'invention concerne de nouvelles souches mutantes eucaryotes appelées fil, de préférence des nouvelles souches de levure fil, qui conservent une haute résistance au stress durant une phase de croissance ou de fermentation active du glucose et qui ont gardé l'essentiel de leurs propriétés métaboliques (croissance, production de métabolites primaires ou secondaires). Ces caractéristiques des souches fil étaient considérées comme inconciliables et contraires à l'équilibre biologique naturel. La recherche de telles nouvelles souches allait donc à l'encontre d'un préjugé. Le procédé nouveau employé pour l'obtention de telles souches eucaryotes aux propriétés inattendues repose sur les étapes suivantes :

- les cellules sont soumises à un traitement mutagène connu ;
- les cellules ainsi obtenues sont cultivées en phase stationnaire, puis elles sont remises en présence d'un sucre fermentescible comme le glucose pour être en métabolisme actif ;
- lesdites cellules sont soumises à un stress important à la chaleur ou à la congélation, c'est-à-dire à un stress entraînant une forte létalité, de manière à sélectionner celles qui sont devenues résistantes au stress en phase de métabolisme actif ;
- les différentes étapes successives ci-dessus ou au moins l'une d'entre elles peuvent être répétées de manière à obtenir un taux de survie par rapport à la population de départ égal ou inférieur à 1% et de préférence à 1 pour 1000, voire 1 pour 1 million ;
- les souches mutées survivantes ainsi obtenues sont testées pour vérifier leur résistance au stress à la chaleur ou à la congélation en phase de croissance ou de fermentation, puis sont sélectionnées parmi les souches résistantes celles qui présentent une conservation substantielle de leurs propriétés de croissance, de fermentation, et/ou de synthèse de métabolites d'intérêt industriel ;
- le maintien des propriétés correspondant au phénotype fil est enfin vérifié après un grand nombre de générations des cellules en conditions non sélectives.

Ce procédé de recherche des souches fil peut être appliqué à toute souche eucaryote, les tests étant éventuellement adaptés en fonction des caractéristiques de ladite souche eucaryote. Il est remarqué que compte tenu que les résistances sont en général croisées,

les tests de résistance à la chaleur ou à la congélation sont des bons tests de sélection pour la recherche de toute nouvelle souche résistante à un stress donné, qu'elle aura à supporter lors de son utilisation industrielle. Par simplification de langage, ces deux tests sont appelés ci-après tests de résistance au choc thermique.

- 5 De manière totalement inattendue car il était pensé que de telles souches n'existaient pas, le procédé ainsi décrit a conduit effectivement à la sélection de plusieurs souches parfaitement stables ayant ces caractéristiques correspondant au phénotype fil.

Les milieux de culture utilisés dans le cadre de la réalisation de la présente invention sont :

| | | | |
|----|---------------|---|----------|
| 10 | Milieu YPD | extrait de levure | 10 g/l |
| | | bactopeptone | 20 g/l |
| | | glucose | 20 g/l |
| 15 | Milieu YPD-A | extrait de levure | 10 g/l |
| | | bactopeptone | 20 g/l |
| | | glucose | 20 g/l |
| | | agar | 20 g/l |
| 20 | Milieu YP | extrait de levure | 10 g/l |
| | | bactopeptone | 20 g/l |
| 25 | Milieu SD-URA | milieu de base azoté sans acide aminé (Yeast Nitrogen Base DIFCO®) | 6,7 g/l |
| | | mélange de complémentation sans uracile (CSM-URA, Bio 101®) | 0,77 g/l |
| | | glucose | 20 g/l |
| | | agar | 15 g/l |

Les tests utilisés dans le cadre de la présente invention sont :

30 TESTS DE CONFIRMATION DE LA RESISTANCE AUX STRESS THERMIQUES EN PHASE DE
FERMENTATION ET/OU CROISSANCE DES SOUCHES EN VUE DE LEUR SELECTION

Test T1 : Taux de survie des cellules après un choc thermique chaud

Les cellules sont cultivées sous agitation sur milieu type YPD jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Ces cellules en phase stationnaire sont lavées, remises en suspension dans de l'eau glacée ou du milieu YP glacé, de préférence de manière à ce

que la densité optique à 600 nm soit comprise entre 1 et 2 par rapport au milieu. Cette suspension est alors incubée à 30°C jusqu'à ce qu'elle atteigne cette température. Une partie est alors conservée sur glace pour servir comme témoin des cellules en phase stationnaire tandis que l'autre partie de la suspension est l'objet d'un ajout de glucose pour obtenir une concentration finale de 100 mM, suivi d'une incubation à 30°C de 10 à 90 minutes et d'une mise sur glace à la fin du temps choisi. Les deux suspensions sont l'objet d'une part d'un dénombrement des cellules viables après dilution de 1000 à 10000 fois et d'autre part d'un traitement thermique d'au moins 20 minutes à 52°C suivi du même dénombrement des cellules viables. Ce dénombrement est réalisé sur YPD-A après une incubation de deux jours à 30°C.

Il peut être ainsi obtenu une mesure de résistance au stress ou taux de survie d'une part des cellules en phase stationnaire et d'autre part des cellules en métabolisme actif. Le taux de survie est exprimé par le rapport entre le nombre de colonies formées dans les échantillons traités thermiquement et le nombre de colonies formées dans les échantillons témoins.

Test T2 : Taux de survie des cellules après un choc thermique froid

Protocole identique au test T1, sauf pour le stress appliqué : la suspension est incubée de -20°C à -30°C pendant 1 à 12 jours.

Test T3 : Détermination de la croissance

Les cellules sont cultivées sur milieu YPD à 30°C sous agitation 180 tours/minute jusqu'à obtention de la phase stationnaire.

La croissance, c'est-à-dire la prolifération des cellules est suivie en fonction du temps par mesure de l'absorbance à 600 nm par rapport au milieu non ensemencé.

Elle est exprimée par la courbe d'évolution de l'absorbance.

Le taux de croissance est la vitesse d'augmentation du nombre de cellules, c'est-à-dire la pente de la courbe d'absorbance en fonction du temps.

Test T4 : Détermination de la croissance :

Les cellules sont cultivées sur milieu YP + glucose à 10 ou 100 mM ou sur milieu YP + mélasse de betteraves à 5g/litre à 30°C et en plaques de microtitration.

250 microlitres de milieu sontensemencés avec l'équivalent de 0,05 DO à 600 nm de cellules en phase stationnaire. Les microplaques sont agitées 30 secondes toutes les minutes et l'absorbance à 600 nm est mesurée toutes les 30 secondes. Le taux de croissance correspond à la pente de la courbe d'absorbance, le μ_{\max} ou taux de croissance maximum est alors déterminé.

Test T5 : Production sur milieu mélassé dans un temps donné :

On ensemence des boîtes contenant 100 grammes de milieu gélosé ayant la composition suivante :

| | | |
|----|-----------------------------------|---------------------|
| | mélasse de betteraves | 5 g/l |
| 10 | $(\text{NH}_4)_2\text{HPO}_4$ | 0,5 g/l |
| | agar | 26 g/l |
| | pH | 5 - 5,5 |
| | biotine ajoutée après autoclavage | 0,5 $\mu\text{g/l}$ |

avec l'équivalent de 2mg de matières sèches de levures par boîte. Ces boîtes sont incubées à 30°C pendant 20 à 40 heures. On mesure la quantité finale de matière sèche levure produite en poids, sur 10 à 20 boîtes, en général sur 16 boîtes.

Pour toute souche ayant une auxotrophie, le milieu est complémenté avec le nutriment manquant.

20 TESTS DE DETERMINATION DE LA FORCE FERMENTATIVE DES LEVURES EN VUE DE LEUR SELECTION

Les tests A1, A20, A'1, A'20, C1 et C2, utilisés pour déterminer la force fermentative les levures c'est-à-dire leur capacité à produire du CO_2 sont réalisés à l'aide du fermentomètre de Burrows et Harrison, décrit dans le « Journal of the Institute of Brewing », 1959, LXV, 1, janvier-février, et sont exactement définis de la manière suivante :

Test A1 : force fermentative (levures fraîches, souches industrielles)

A 20 g de farine incubée à 30°C, on ajoute un poids de levure correspondant à 160 mg de matières sèches, cette levure étant délayée dans 15 ml d'eau contenant 27 g de NaCl par litre et 4 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ par litre ; on malaxe à l'aide d'une spatule pendant 40

secondes, de manière à obtenir une pâte que l'on place à 30°C ; treize minutes après le début du malaxage, le récipient contenant la pâte est hermétiquement fermé ; la quantité totale de dioxyde de carbone (CO₂) produit est mesurée après 60 et 120 minutes , cette quantité est exprimée en ml à 20°C et sous 760 mm de mercure (Hg).

5 Test A20 : force fermentative (levures fraîches , autres souches)

Test identique au test A1, mais la composition des pâtons est modifiée comme suit : 1g (un gramme) de saccharose est ajouté au mélange composé de farine, d'eau, de levure et de sel, avant d'effectuer le pétrissage. De plus, le dégagement de CO₂ est mesuré sur 120 et 240 minutes à 30°C (au lieu de 60 et 120 minutes pour le test A1).

10 Test A'1 : force fermentative (levures sèches souches industrielles)

Test identique au test A1, mais préalablement au malaxage, on réhydrate en 15 minutes les 160 mg de matières sèches de la levure, qui se présente sous forme de levure sèche dans de l'eau distillée, à 20°C ou à 38°C ; on utilise à cet effet 40% du volume d'eau d'hydratation mis en oeuvre ; le complément en eau, additionné de 405 mg de NaCl, est ajouté à l'issue des 15 minutes de réhydratation.

Test A'20 : force fermentative (levures sèches autres souches)

Test identique au test A'1, mais on ajoute à la farine 1 g de saccharose ; la quantité totale de gaz produit est par ailleurs mesurée sur 240 minutes.

Test C1 : force fermentative (souches industrielles après congélation)

20 Test identique au test A1 mais il faut façonner au moins six pâtons par souche. Les pâtons sont façonnés selon les conditions du test A1, mais après pétrissage, les pâtons sont incubés à 30°C pendant 30 minutes. Les pâtons pré-fermentés sont ensuite immédiatement stockés à -20°C et conservés à cette température sur des durées allant de 1 jour à 2 mois. Pour mesurer l'activité fermentative après conservation à -20°C, le

25 pâton congelé est placé dans une enceinte à 30°C ; après treize minutes, le récipient contenant le pâton est fermé hermétiquement et la quantité totale de CO₂ produite (exprimée en ml à 20°C et sous 760 mm de Hg) est mesurée sur 120 minutes.

Pour une souche donnée, le dégagement de CO₂ de référence correspond au dégagement de CO₂ du pâton conservé pendant un seul jour à -20°C. Les autres pâtons

sont décongelés à intervalles réguliers (par exemple, après 1 semaine, 2 semaines, 1 mois, 1 mois ½ et 2 mois de conservation à -20°C), et le dégagement de CO₂ mesuré de manière à suivre l'évolution de l'activité fermentative en fonction de la durée de conservation à -20°C.

- 5 La stabilité en congélation est le rapport entre le dégagement de CO₂ sur 2 heures après 1 mois de congélation et le dégagement gazeux de référence après 1 jour de congélation.

Test C2 (autres souches après congélation)

Test basé sur le test C1 avec les modifications suivantes :

- 10 - 1 g de saccharose est ajouté au mélange farine-eau-sels-levure avant pétrissage,
 - les pâtons sont pré-fermentés 60 minutes à 30°C avant congélation à -20°C,
 - le dégagement de CO₂ est mesuré sur 240 minutes à 30°C.

- 15 L'ensemble des tests ainsi décrits pour la mise en œuvre de l'invention sont des tests de nature biologique et leur reproductibilité d'un laboratoire à un autre pose souvent des problèmes délicats. En conséquence, ils doivent le plus souvent être interprétés de manière relative par rapport à un témoin. La mise au point des tests doit être menée de manière à retrouver les valeurs indiquées pour le témoin ou, de préférence, les témoins de manière à avoir une échelle de valeurs reproductible. Cette mise au point des tests
 20 doit être soignée et minutieuse.

- Il est clair pour l'homme de l'art que chaque étape du procédé devra être adaptée en fonction des caractéristiques des souches utilisées et de leur létalité ou taux de survie dans les différents tests. Les indications données ci-après sur la mise en œuvre des différentes étapes du procédé objet de l'invention ne sont que des exemples dans le
 25 cadre de l'application du procédé à *Saccharomyces cerevisiae*.

Le procédé objet de l'invention de recherche de nouvelles souches à la fois métaboliquement actives et résistantes au stress dont le principe est donné ci-dessus peut être mis en œuvre :

- 30 - sur des souches de laboratoire, c'est-à-dire sur des souches modèles dont l'ensemble des caractéristiques génétiques sont bien connues et contenant en général des marqueurs d'auxotrophie ;

- sur des souches industrielles, en général beaucoup plus complexes au plan génétique, du fait qu'elles ne sont pas des haploïdes ou des diploïdes vrais contrairement aux souches de laboratoire, et qui ont été sélectionnées pour leurs performances industrielles. Parmi les souches industrielles on peut distinguer :
 - 5 • les souches industrielles dans leur état le plus stable, en général sous forme polyploïde,
 - les ségrégeants de souches industrielles, c'est-à-dire les formes sexuées qui sont en général moins stables, mais sont utilisables pour des constructions de génétique classique.
- 10 Dans le cadre de recherches ayant pour but de caractériser les mutations conférant le phénotype fil, le nouveau procédé objet de l'invention sera de préférence mis en œuvre sur des souches de laboratoires, de préférence haploïdes.
 La caractérisation du ou des gènes concernés sera entreprise, ce qui permettra ensuite de construire des souches industrielles.
- 15 Dans le cadre de recherches ayant pour but d'obtenir directement des souches industrielles, le procédé sera mis en œuvre directement soit sur des ségrégeants de souches industrielles, soit directement sur les souches industrielles. L'emploi de ségrégeants, signifie que les ségrégeants fil obtenus pourront et devront faire l'objet de constructions par génétique classique pour retrouver toutes les caractéristiques désirées
- 20 des souches industrielles, en plus du phénotype fil.
 De manière avantageuse, les traitements mutagènes employés dans le procédé selon l'invention sont les suivants. Les cellules de levure *Saccharomyces cerevisiae* sont cultivées sur un milieu YPD puis subissent un traitement mutagène par un agent chimique tel que l'EMS (Ethyl-Methyl-Sulfonate) ou par ultraviolets selon des
- 25 protocoles classiques (Sherman et al., 1986, Cold Spring Harbor Lab Press ; Spencer et al., 1988, Yeast a practical approach, Ed. Campbell et Duffus). Les conditions de la mutagenèse sont en général choisies pour obtenir un taux de survie des cellules de l'ordre de 1 à 20%, de préférence environ 10%. Les cellules sont alors lavées, remises en suspension dans un milieu YPD et cultivées jusqu'à atteindre la phase stationnaire.
- 30 Puis une fraction connue de la culture est prélevée, éventuellement lavée, transférée sur milieu YPD et incubé à 30°C, pendant 30 à 90 minutes. Une variante peut consister à

ajouter à la culture en phase stationnaire 100 mM de glucose et à l'incuber à 30°C pendant 30 à 90 minutes.

La culture est ensuite soumise soit à un choc thermique chaud par incubation entre 52 et 65°C, de préférence à 56°C pendant 30 minutes ou plus, soit à un choc thermique
5 froid (congélation) par incubation entre -20°C et -40°C pendant 1 à 3 jours. La congélation ne provoquant qu'une légère perte de viabilité des cellules de levure, le traitement est répété jusqu'à 200 fois, jusqu'à l'obtention d'un taux de survie des cellules inférieur à 1 pour 10000, de préférence inférieur à 1 pour 100000 et de préférence encore inférieur à 1 pour 1000000.

10 Dans une forme de réalisation particulière du protocole de sélection, les cellules après mutagenèse sont introduites à proportion de 4.10^8 cellules/g de pignon dans des petits pâtons d'environ 0,5 g, composés d'eau (42,5%), de farine (56,5%), de NaCl (1%) et fermentés 30 minutes à 30°C de manière à ce que les cellules de levure quittent la phase stationnaire. Les pâtons sont alors successivement congelés à -30°C et
15 décongelés à température ambiante, jusqu'à 200 fois de manière à ce que seulement quelques centaines ou quelques milliers de cellules survivent.

A ce stade, les cellules ayant survécu au choc thermique (chaleur ou congélation) sont des mutants résistants au stress dont il convient de vérifier d'une part la persistance de cette propriété durant la fermentation ou la croissance sur plusieurs générations, et
20 d'autre part le maintien de leur capacité de croissance et de production de métabolites.

Pour vérifier la résistance en phase de croissance et/ou de fermentation, les taux de survie sont mesurés selon les tests T1 et/ou T2, et/ou des tests équivalents. Les souches mutées sont sélectionnées sur l'augmentation de leur taux de survie dans un stress important en phase de fermentation et/ou de croissance comme ceux des tests T1 et T2
25 par rapport à leur souche de départ, et dans ce cas là on recherchera de manière générale un taux de survie au moins 1,5 fois plus élevé. Les souches mutées peuvent aussi être sélectionnées sur la comparaison de leur taux de survie en phase de croissance et/ou de fermentation avec leur taux de survie en phase stationnaire, ou avec le taux de survie en phase stationnaire de la souche de départ.

30 De préférence les souches mutées sélectionnées auront après une phase de croissance et/ou fermentation comme celle définie dans les tests T1 ou T2 au moins 50%, de

préférence au moins 60%, de préférence encore au moins 70%, et encore plus préférentiellement au moins 80% de leur taux de survie en phase stationnaire.

Une variante consiste à mesurer la résistance des souches mutées obtenues, en congélation selon les tests C1 ou C2 ou des tests équivalents, ou encore à mesurer la
 5 résistance au séchage en utilisant des rapports à partir des valeurs obtenues dans les tests A et A' pour la levure avant et après séchage.

Pour vérifier la conservation des propriétés de croissance et de fermentation, il peut être effectué une comparaison entre la souche de départ et la souche mutée présentant un phénotype de résistance au stress en phase métabolique active, dans un des tests T3,
 10 T4 ou T5 et dans un des tests A ou dans des tests similaires permettant de mesurer les propriétés d'intérêt des souches considérées. Une conservation d'au moins 80% de ces propriétés est nécessaire pour correspondre au phénotype fil.

De plus il est indispensable de vérifier que la mutation est stable, c'est-à-dire que le phénotype fil est stable. En conséquence, l'ensemble des vérifications définies ci-
 15 dessus doivent être répétées sur la souche mutée réisolée après un grand nombre de multiplications en milieu non sélectif, comme par exemple après 10 cultures successives de 2 jours en milieu YPD-A à 30°C ou encore 10 cultures en milieu YPD à 30°C et ensemencement au centième à partir de la culture précédente.

Les souches ayant traversé avec succès ces différents filtres de sélection sont les
 20 souches parfaitement stables dotées du phénotype fil selon l'invention. Elles sont résistantes au(x) stress en phase de métabolisme actif, elles ont conservé une croissance et un pouvoir fermentatif intéressants.

Les souches fil sont destinées à être utilisées dans des applications industrielles particulièrement exigeantes en ce qui concerne la résistance au stress en phase de
 25 métabolisme actif. Des propriétés recherchées pour les souches fil sont par exemple une stabilité élevée en congélation et/ou au séchage. Par stabilité, on entend que le pouvoir fermentatif de la levure ayant été placée dans des conditions agressives conserve un niveau élevé par rapport au pouvoir fermentatif de la même levure avant le traitement agressif, notamment le séchage et la congélation en pâtons.

30 La stabilité de la levure en pâtons congelés ou surgelés est un critère important en boulangerie industrielle où les pâtons sont congelés alors que la fermentation a déjà

commencé, et que la durée de congélation peut aller de quelques jours à plusieurs semaines. Il est crucial que lors de la décongélation la levure n'ait pas perdu l'essentiel de son pouvoir fermentatif.

5 Une souche de levure industrielle ayant d'une part des propriétés équivalentes aux souches industrielles actuellement commercialisées en France ou en Europe et d'autre part ayant une stabilité en congélation en pâtons selon le test C1 au moins supérieure à 80%, de préférence au moins supérieure à 85% et de préférence encore au moins supérieure à 90%, représente un progrès important pour la fabrication des pâtes congelées.

10 Au niveau de la sélection de mutants fil à partir de souches de laboratoire pour ensuite caractériser le ou les gènes à l'origine de la mutation, ou de ségrégeants devant servir à la construction de nouvelles souches industrielles par génétique classique, l'expérience a montré qu'il était nécessaire d'adopter au niveau de la sélection des taux de stabilité moindre en pâte congelée, ces souches étant en général par nature moins résistantes au stress d'une congélation.

15 La levure de boulangerie, sous forme sèche à au moins 92% de matières sèches, de préférence au moins 94% de matières sèches, doit conserver ses performances fermentatives, à matières sèches égales, malgré le stress lié à la déshydratation.

Il est bien connu que les levures ont une perte d'activité au séchage d'autant plus faible qu'elles sont récoltées dans une phase de croissance faible, c'est-à-dire dans des conditions assez éloignées de celles dans lesquelles elles ont leur potentiel fermentaire maximal. Des souches fil permettent de déplacer cet équilibre. Cette possibilité peut être mesurée en comparant la perte d'activité au séchage de la souche fil par rapport à la perte d'activité au séchage de la souche de départ ou d'une souche témoin cultivée dans des mêmes conditions de phase de croissance active, correspondant à une composition en azote élevée des biomasses récoltées. La perte d'activité au séchage est définie selon la formule :

$$100 - \frac{A'}{A} \times 100$$

A' est la force fermentative mesurée pour la levure sèche selon un test A', A est la force fermentative mesurée pour la levure avant séchage selon le test A correspondant.

Les **procédés** selon l'invention permettent d'obtenir des nouvelles souches permettant de **produire des levures** sèches très actives à environ 9% d'azote sur matières sèches qui n'ont perdu que **30%** maximum de leur activité fermentative sous forme fraîche, et de **préférence 25% ou 20%** maximum.

- 5 Le **procédé** selon l'invention a conduit à l'obtention de deux types de mutants de souches de levure de laboratoire appelés fil1 et fil2, une numérotation différente (fil1, fil2,...) étant donnée pour chaque mutation semblant affecter un gène différent.

La première famille de mutants est la famille fil1 dont la souche type est la souche PVD1150 = M5 fil1. Ce mutant est dérivé de la souche de laboratoire de type sauvage
 10 M5 (Schaaff et al., 1989, Curr. Genet., 15, pp.75-81). La mutation fil1 est portée par le gène *CYR1/CDC35*, qui code pour l'adénylate cyclase, c'est-à-dire pour l'enzyme qui synthétise l'AMPc. La mutation a été identifiée comme étant une substitution d'un résidu glutamate en un résidu lysine en position 1682 de la protéine. Ce changement ponctuel est localisé dans le domaine catalytique de l'adénylate cyclase, à proximité de
 15 la région qui est considérée comme impliquée dans l'activation de l'adénylate cyclase par les protéines Ras. Le changement d'un acide aminé acide en un acide aminé basique est susceptible d'influencer fortement l'activité du site catalytique, ce d'autant plus que ce changement intervient dans une zone très conservée. Cette mutation fil1 introduite dans le gène *CYR1/CDC35* de 2 souches différentes de laboratoire, leur a fait
 20 acquérir ledit phénotype fil. En conséquence la mutation fil1 dans le gène *CYR1/CDC35* permet de construire des souches industrielles ayant le phénotype fil.

La seconde famille de mutants est la famille fil2 dont la souche type est la souche KL1 = W303 fil2. Ce mutant est dérivé de la souche de laboratoire W303-1A (Thomas et
 25 Rothstein (1989) Cell, 56, pp.619-630).

La mutation fil2 est portée par le gène YDL035c appelée gène *GPR1* par Xue et al, EMBO J., 1998, 17,7, 1996-2007. Le gène *GPR1* a été isolé et identifié comme étant un gène codant pour une protéine s'associant à la protéine Gpa2 codée par le gène *GPA2*. L'introduction de ce gène *GPR1* muté dans les souches industrielles permettra
 30 de leur conférer le phénotype fil.

Des mutations sur la famille des gènes codant pour des protéines associées à la protéine codée par le gène *GPR1*, comme une mutation sur le gène *GPA2*, sont susceptibles avec une très forte probabilité de conduire au phénotype fil.

- 5 Le procédé objet de l'invention a conduit à l'obtention de deux ségrégeants industriels portant la mutation appelée fil300.

Ce sont les souches FD51 = HL816 fil300 et FDH16-22 = HL822 fil300. Ces deux souches sont dérivées d'un ségrégeant industriel. Elles permettent par croisement avec d'autres ségrégeants industriels, puis sélection d'au moins deux ségrégeants de signe opposé portant le phénotype fil, et enfin croisement entre ces ségrégeants, de construire
10 de nouvelles souches industrielles ayant le phénotype fil

Plusieurs mutants ont été obtenus par le procédé objet de l'invention à partir de la souche industrielle polyploïde S47 qui est déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2037.

- 15 Cette souche a été choisie car elle est la souche la plus utilisée en France actuellement pour la panification des pâtes crues congelées.

Ces mutants sont les souches :

AT25 = S47 fil400

AT26

- 20 AT28 = S47 fil500

AT31

- Les deux souches AT25 et AT28 ont fait l'objet d'études complètes conduisant à la conclusion qu'il s'agit a priori de deux mutations différentes. La souche AT25 permet une utilisation directe comme souche industrielle de levure de panification pour
25 l'application pâtes congelées.

- De manière générale, l'invention n'est pas limitée à l'isolement des gènes portant la mutation dans les souches de laboratoire fil. Elle englobe la même démarche pour isoler le gène portant la mutation dans les ségrégeants industriels ou dans les souches
30 industrielles. Dans les souches industrielles polyploïdes, la mutation est probablement dominante et en conséquence la stratégie d'isolement du ou des gènes concernés devra

être adaptée en conséquence. Dans cette hypothèse, on construit une banque d'ADN génomique du mutant fil dans un vecteur centromérique comme le vecteur Ycp50, usuellement disponible, qui possède le marqueur *URA3*. On transforme une souche de laboratoire de levure auxotrophe pour l'uracile avec cette banque d'ADN et on recherche parmi les transformants qui n'ont plus besoin d'uracile, ceux qui ont acquis le phénotype fil, par la technique de mise en évidence de mutants fil décrite précédemment.

Il est remarquable que les différents mutants fil obtenus n'ont pas des mutations qui affectent la même voie métabolique. Cela est montré par le tableau suivant :

10

| Propriétés | Souches | | | |
|---|-------------------|------|--------|------------------------------|
| | fil1 | fil2 | fil300 | AT25 ; AT26 ; AT28 ; AT31 |
| Réduction de la perte de résistance au stress induite par la fermentation | oui | oui | oui | oui |
| Déficiencie du signal AMPc induit par le glucose | oui | oui | oui | non |
| Déficiencie de l'accumulation d'AMPc induite par l'acidification | oui partiellement | non | n.d. | n.d. |
| Niveau de tréhalose accru | oui | oui | oui | oui |
| Phase de latence normale pour culture sur glucose | oui | oui | oui | oui |
| Taux de croissance normal sur glucose | oui | oui | oui | oui |
| Production de CO ₂ normale dans la pâte | oui | oui | oui | oui |
| Récolte normale sur mélasse | oui | oui | oui | oui |

L'augmentation de la teneur en AMPc induite par le glucose est affectée dans les mutants fil1, fil2 et fil300. Elle ne l'est pas en revanche dans les mutants fil400 (AT25), fil500 (AT28), et dans les mutants AT26 et AT31.

Dans le cas des mutants *fil1*, *fil2* et *fil300*, les mutations affectent la voie Ras-AMPC-PKA. Cela est totalement normal pour la mutation *fil1*. Cela conduit à dire que le gène *GPR1* dont la fonction est mal connue a une action sur cette voie.

Dans le cas des autres mutants, la mutation ne semble pas concerner la voie Ras-AMPC-PKA.

Il est connu que la voie Ras-AMPC-PKA n'est pas la seule voie impliquée dans les mécanismes de résistance au stress. Le nouveau procédé selon l'invention est un outil particulièrement intéressant pour :

- isoler des nouveaux mutants résistants au stress
- caractériser le ou les gènes concernés dans différentes voies métaboliques
- construire à l'aide de ces gènes des nouvelles souches industrielles particulièrement performantes.

Les résistances au stress sont souvent croisées. Les mêmes voies métaboliques se retrouvent souvent chez de nombreux eucaryotes différents. Notamment des voies équivalentes à la voie Ras-AMPC-PKA ont été décrites chez de nombreux eucaryotes. En conséquence, la présente invention ne se limite pas à l'obtention de levures fraîches ou sèches de panification, de brasserie, de vinification, de distillation, pour la production de protéines hétérologues, mais à l'obtention de toute nouvelle souche eucaryote d'intérêt pour tout usage industriel, comme la production d'acides organiques, d'acides aminés, d'enzymes, etc...

La présente invention est également illustrée par les exemples suivants. La liste des figures venant à l'appui de ces exemples est donnée ci-après. Les figures sont désignées par la nomenclature suivante. Le premier chiffre est le numéro de l'exemple dans lequel la figure est décrite, le second chiffre est son ordre dans ledit exemple.

Figure 1-1 : Croissance des souches M5 et M5 *fil1* = PVD1150 sur milieu YPD à 30°C et sous agitation (180 tours/min) selon le test T3.

Figure 1-2 : Réponse AMPC (Unités Arbitraires) des souches PVD1150 et M5 après ajout de glucose (à 100 mM) à des cellules cultivées sur milieu glycérol jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire.

Figure 1-3 : Suivi de la dégradation du tréhalose (Unités Arbitraires) dans les souches PVD1050, PVD1150 et leurs témoins respectifs M5 *hxx2Δ* et M5, après une induction par le glucose (200 mM) sur des cellules en phase stationnaire.

Figure 1-4 : Taux de survie des souches HL8.16 *leu2* et HL816 *fil300* après un choc thermique de 30 minutes à 52°C selon le test T1.

Figure 1-5 : Taux de survie des souches HL8.16 *leu2* et HL816 *fil300* après une congélation de 12 jours à -25°C selon le test T2.

Figure 1-6 : Taux de tréhalose (Unités Arbitraires) dans les souches HL8.16 *leu2* et HL816 *fil300*. Les souches sont cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire, puis du glucose (100 mM) est ajouté à t=0.

Figure 1-7 : Réponse AMPc (Unités Arbitraires) après induction par le glucose (100 mM) dans les souches HL8.16 *leu2* et HL816 *fil300* cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. L'ajout initial de 3 mM de glucose permet de s'affranchir de la réponse AMPc liée à l'acidification intracellulaire.

Figure 2-1 : Suivi de la dégradation de tréhalose (Unités Arbitraires) après une induction par le glucose à t = 0 (sur des cellules en phase stationnaire).

Figure 2-2 : Suivi de la réponse AMPc (Unités Arbitraires) après une induction (à t = 0) par le glucose sur des cellules en phase exponentielle de croissance sur maltose. a) témoin S47 et mutant AT25 ; b) témoin S47 et mutants AT26, AT28 et AT31.

Figure 3-1 : Stratégie de gap-filling (remplissage de l'ADN manquant) utilisée pour l'isolement du gène portant la mutation *fil1* dans la souche PVD1150.

Figure 3-2 : Carte physique du vecteur pUC18-CYR1^{mut}-URA3 [Sn].

Figure 6-1 : Stabilité en congélation mesurée par le ratio entre la force au jour de mesure et la force après 1 jour de conservation à -20°C.

EXEMPLE 1 : Utilisation du stress thermique comme outil d'isolement de mutants *fil*

A. Obtention des souches ayant le phénotype *fil*

5 a) Obtention des souches PVD1050 et PVD1150

La souche de départ est la souche haploïde M5 *hvk2Δ* (souche portant une délétion du gène de l'hexokinase II) qui est issue de la souche haploïde M5, elle-même issue de la souche diploïde M5 (Schaaff et coll. (1989), Curr. Genet. 15: 75-81). Une mutagenèse à l'E.M.S. (Ethyl Méthyl Sulfonate) a été réalisée selon la technique décrite dans
 10 « Methods in yeast Genetics, Cold Spring Harbor Laboratory Press » (Sherman et coll., 1986) de manière à obtenir un taux de survie d'environ 10%. Après ce traitement, les cellules ont été lavées et remises en suspension dans du milieu YPD. Puis elles ont été cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Une prise de 0,25 ml de cette culture a alors été prélevée et utilisée pour inoculer 25 ml de milieu YPD. Le milieu
 15 inoculé a été incubé à 30°C pendant 90 minutes, puis transféré à 52°C pendant 30 minutes. Il a ensuite été incubé à 30°C pendant 24 heures, puis 0.5 ml de la culture a été transféré dans 25 ml de milieu YPD. Ce milieu a été incubé à 30°C pendant 90 minutes. Des fractions de 100 µl ont ensuite été prélevées et placées à 56°C pendant 30 minutes. Ensuite, les cellules survivantes ont été étalées sur milieu YPD-A. La
 20 résistance au stress a alors été évaluée sur les cellules s'étant développées.

Pour tester cette résistance, les cellules de levure des souches obtenues ont été testées selon le test T1, avec une incubation à 52°C fixée à 30 minutes. Dans les conditions de ce test, et après vérification de la conservation des propriétés de croissance et de fermentation, et la stabilité de la mutation, une souche a été sélectionnée et nommée
 25 Mut1 ou encore PVD1050. Il a été démontré que cette souche porte une mutation stable, qui a été nommée *fil1* et qui est monogénique et récessive. La souche PVD1050 présente un taux de survie après traitement thermique qui est étonnamment élevé, et cela en phase stationnaire comme en phase exponentielle, comme le montrent les résultats du tableau 1-A. Il est surprenant, pour une souche de *Saccharomyces*
 30 *cerevisiae*, de conserver en phase exponentielle près de 100% de viabilité après un traitement thermique de 30 minutes à 52°C. Il est également surprenant de constater

que cette souche PVD1050 n'est pas significativement pénalisée en croissance et en fermentation par rapport à la souche M5 *hxx2Δ*, étant entendu que la délétion du gène *HXX2* pénalise quant à elle, entre autres, la croissance.

- 5 Afin de s'affranchir de cette délétion du gène *HXX2*, la souche PVD1050 (=M5 *hxx2Δ fill*) a été croisée avec la souche M5 haploïde, puis il a été recherché dans la descendance une souche portant la mutation *fill* mais possédant un gène *HXX2* sauvage. La souche PVD1150 encore appelée souche M5 *fill* a ainsi été isolée. Cette souche présente le même phénotype de thermorésistance que la souche PVD1050, c'est-à-dire un taux de survie extrêmement élevé dans le test T1 (tableau 1-A).

10

| Test T1 avec taux de survie après 30' à 52°C (%) | | | | |
|--|-----------------------|--|------|------|
| | En Phase stationnaire | En Métabolisme actif = incubation glucose de : | | |
| | | 30' | 60' | 90' |
| M5 <i>hxx2Δ</i> | 70 % | 40 % | 30 % | 15 % |
| PVD1050 | 100 % | 98 % | 98 % | 98 % |
| M5 | 50 % | 20 % | 10 % | 5 % |
| PVD1150 | 99 % | 96 % | - | - |

Tableau 1-A - Evaluation du taux de survie des souches *fill* et de leurs témoins après un choc thermique de 30 minutes à 52°C.

15 **b) Etude de la souche PVD1150**

L'étude des caractéristiques associées à la mutation *fill* a été réalisée sur cette nouvelle souche M5 *fill* en prenant la souche haploïde M5 comme témoin.

- 20 Dans un premier temps, la croissance sur glucose de la souche PVD1150 est comparée à celle du témoin M5 de manière à étudier l'influence éventuelle de la mutation *fill* sur la croissance. Les souches ont été cultivées sur milieu YPD selon les conditions du test T3. Les résultats (figure 1-1) montrent clairement que la mutation *fill* affecte très peu la croissance de la souche M5. Ces mêmes souches ont ensuite été cultivées sur milieu

mélasse gélosé selon les conditions du test T5. Un rendement de croissance identique a été obtenu pour les deux souches (tableau 1-B).

Les levures récoltées ont été utilisées pour réaliser une mesure de force fermentative dans les conditions du test A20. Ce test montre que la perte de force associée à la mutation *fil1* ne dépasse pas 20% (tableau 1-B).

| | Test T5 | Test A20 |
|----------------|--|---|
| | Récolte (en matière sèche de levure) après 40 h [pour 8 g de mélasse] | Force fermentative (ml CO ₂ dégagé en 2 heures) |
| M5 | 1.70 g | 66-75 ml |
| M5 <i>fil1</i> | 1.74 g | 60-65 ml |

Tableau 1-B

Donc, il n'y a pas de pénalisation en croissance et une faible pénalisation en fermentation pour le mutant. Il s'agit donc bien d'un mutant possédant le nouveau phénotype *fil*, objet de l'invention.

Les niveaux d'AMPc et de tréhalose ont été étudiés dans les deux souches portant la mutation *fil1* (PVD1050 et PVD1150) par rapport à leurs témoins respectifs (M5 *hvk2* Δ et M5). Le niveau d'AMPc a été mesuré sur les souches PVD1150 et M5, selon la méthode décrite par Thévelein et coll., 1987, J. Gen. Microbiol., 133, pp.2197-2205. Ce niveau d'AMPc a ainsi été déterminé après induction de sa synthèse par ajout de glucose (à 100 mM) sur des cellules ayant atteint la phase stationnaire après une croissance sur glycérol. Un signal AMPc atténué a été mis en évidence dans le mutant PVD1150 (figure 1-2). Le tréhalose a par ailleurs été dosé sur les souches PVD1150, PVD1050, M5 et M5 *hvk2* Δ , selon les conditions décrites par Neves et coll., 1991, FEBS Lett., 283, pp.19-22. Une mobilisation beaucoup moins rapide du tréhalose (après induction par le glucose sur des cellules en phase stationnaire) est observée dans les souches portant la mutation *fil1* que dans les souches témoins (figure 1-3).

A la vue des résultats des mesures de tréhalose et d'AMPc, il semble clair que la mutation *fil1* touche la voie Ras-AMPc. Toutefois, et contrairement aux mutants de la voie Ras-AMPc précédemment isolés et qui présentent des retards de croissance et de

fermentation (Ma P. et coll., 1997, Microbiol., 143, pp.3451-3459), le mutant *fil1* n'est que très faiblement pénalisé en croissance et en fermentation.

Afin de déterminer l'impact réel de la plus grande teneur en tréhalose sur la résistance au stress des mutants *fil1*, le gène *TPS1* (qui code pour la synthèse de tréhalose phosphate à partir de glucose) a été délété dans les souches *fil1* et les souches témoins de départ. Bien que ces souches *fil1 tps1Δ* ne synthétisent plus de tréhalose, elles conservent une bien meilleure résistance au stress thermique que les souches témoins *tps1Δ* : 30% de survie après 30 minutes à 52°C contre 0,1% pour les témoins (conditions du test T1). Cela corrobore les résultats publiés par Van Dijck et coll. (1995, Appl. Environ. Microbiol., 61, pp.109-115) qui mettaient en évidence que le tréhalose n'est pas, à lui seul, responsable de l'amélioration de la résistance au stress.

B. Obtention de souches fil300

a/ Obtention de la souche FD51 = HL816 fil300

Une mutagenèse a été réalisée sur la souche HL8.16 *leu2* (souche aneuploïde, ségrégeant de souche industrielle rendu auxotrophe pour la leucine ; collection LESAFFRE) : les cellules ont été cultivées à 30°C dans un milieu YPD jusqu'à obtention de la phase stationnaire. Puis les cellules ont été incubées à 30°C pendant 1 heure, en présence d'E.M.S. (Ethyl Methyl Sulfonate) selon la technique décrite dans « Methods in yeast Genetics, Cold Spring Harbor Laboratory Press » (Sherman et al., 1986) de manière à obtenir un taux de survie d'environ 10%. Après ce traitement, les cellules ont été lavées, remises en suspension dans du milieu YPD et cultivées à 30°C jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Du glucose a alors été ajouté dans la culture en phase stationnaire de manière à obtenir une concentration finale en glucose égale à 100 mM. Le milieu inoculé a été incubé à 30°C pendant 30 minutes, puis à 56°C pendant 30 minutes, et enfin à 65°C pendant 30 minutes. Les cellules survivantes ont été isolées par étalement sur milieu YPD-A. Puis elles ont été soumises individuellement à un test de résistance à la chaleur, selon les conditions du test T1 avec une incubation de 30 minutes à 52°C. A l'issue de cette première sélection, les six souches présentant les taux de survie les plus importants ont été retenues et utilisées

pour un second traitement mutagène, cette fois aux ultra-violets (U.V.), selon la technique décrite par Spencer J.F.T. et Spencer D.M., Chapitre « Yeast genetics » extrait de « Yeast a practical approach », 1988, Campbell et Duffus Eds. Dans le cadre de ce traitement, les cellules de chacune des 6 souches ont été cultivées dans un milieu YPD jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Elles ont ensuite été lavées à l'eau, diluées puis étalées sur milieu YPD-A. Une dose de 30 mJ de lumière U.V. (de longueur d'onde égale à 260 nm) a été appliquée sur les boîtes ouvertes. Les colonies ayant survécu au traitement mutagène ont été repiquées sur un milieu YPD-A puis incubées 2 heures à 60°C. A l'issue de ce traitement thermique, seules 2 colonies ont survécu. Un test de résistance à la chaleur en milieu liquide a alors été réalisé sur ces deux colonies, selon les conditions du test T1 avec une incubation de 30 minutes à 52°C après une incubation en présence de glucose pendant 1 heure à 30°C. La meilleure des 2 souches a été retenue pour un dernier traitement mutagène aux ultra-violets (U.V.), selon les conditions décrites précédemment mais avec une dose de 10 mJ de lumière U.V. (260 nm). Les colonies ayant survécu au traitement mutagène ont été repiquées sur un milieu YPD-A et incubées 6 heures à 60°C. A l'issue de ce traitement thermique, 171 colonies (sur près de 1500) ont survécu. Un test de résistance à la chaleur de ces 171 souches selon les conditions du test T1 a permis de sélectionner la souche FD51, nommée également HL816 fil300. Bien entendu, il a été vérifié que cette mutation était stable et qu'elle répondait à toutes les conditions du phénotype fil.

b/ Etude de la souche HL816 fil300

Une très nette amélioration de la résistance à la chaleur de la souche a été confirmée par le test T1, que ce soit en phase stationnaire ou en reprise de fermentation (figure 1-4) . Par ailleurs, la mutation fil300 induit une résistance à d'autres stress : en effet la souche HL816 fil300 présente, dans les conditions du test T2, un taux de survie de plus de 50% après congélation de cellules préfermentées 90 minutes à 30°C alors que le taux de survie du témoin est dans les mêmes conditions inférieur à 11% (figure 1-5). La souche HL816 fil300 résiste donc également beaucoup mieux à la congélation que

la souche témoin, que les cellules soient en phase stationnaire ou en reprise de fermentation.

Afin de mieux caractériser le phénotype lié à la mutation *fil300*, les niveaux de tréhalose et d'AMPc ont été mesurés sur des cellules en phase stationnaire qui sont
 5 soumises à une induction par le glucose. La souche témoin est la souche de départ HL8.16 *leu2*. En phase stationnaire (soit 0 minute de fermentation dans la figure 1-6), le niveau de tréhalose est 3 à 4 fois plus élevé dans le mutant *fil300* que dans le témoin HL8.16 *leu2*. En phase exponentielle, la vitesse de dégradation du tréhalose dans la
 10 observé dans le mutant HL816 *fil300* une réponse AMPc réduite de près de 50% après une induction de la synthèse par le glucose sur des cellules en phase stationnaire (figure 1.7).

Les performances de croissance et de force fermentative des souches HL8.16 *leu2* (témoin) et HL816 *fil300* ont été déterminées selon les tests T5 et A20. Les résultats
 15 sont donnés dans le tableau 1-C. La souche *fil300* conserve dans ces tests 80% des caractéristiques mesurées pour la souche de départ.

| | T5 | A20 |
|---------------------|-----------------------------------|---|
| | Récolte (en matière sèche levure) | Force fermentative |
| | 20 h [pour 8 g de mélasse] | (ml CO ₂ dégagé en 2 heures) |
| HL8.16 <i>leu2</i> | 1.5 g | 85 |
| HL816 <i>fil300</i> | 1.2 g | 68 |

Tableau 1-C

20

b/ Isolement de la souche HL822 *fil300*

Les pertes de rendement de croissance et de force fermentative du mutant HL816 *fil300* qui sont au maximum de ce qui est toléré dans le cadre du phénotype *fil* pénalisent son utilisation. C'est pourquoi il a été réalisé des croisements entre ledit
 25 mutant et quelques ségrégeants afin d'isoler, dans la descendance des diploïdes obtenus des ségrégeants thermorésistants aux performances améliorées. La souche HL822 *fil300*, également nommée FDH16-22, a ainsi été isolée. Cette souche, qui est un

- 5 ségrégeant issu d'un croisement entre la souche HL816 fil300 et le ségrégeant HL816 (collection **LESAFFRE**), possède un rendement de croissance sur mélasse et une force fermentative identiques à ceux de la souche témoin HL8.16 *leu2* (tableau 1-D). Elle possède par ailleurs un niveau de thermorésistance identique à celui de la souche HL816 fil300.

| | T5 | A20 |
|--------------------|---|---|
| | Récolte (en matière sèche levure) après 20 h [pour 8 g de mélasse] | Force fermentative (ml CO ₂ dégagé en 2 heures) |
| HL8.16 <i>leu2</i> | 1.5 g | 85 |
| HL822 fil300 | 1.5 g | 85 |

Tableau 1-D : Rendement de croissance sur mélasse et force fermentative (mesurée dans le test A20) des souches HL8.16 *leu2* et HL822 fil300.

10

Pour chacune des deux souches fil300 (HL816 fil300 et HL822 fil300), la stabilité en pâtons congelés a été comparée à celle de la souche témoin HL8.12 *leu2* par mesure de l'évolution de l'activité fermentative en fonction de la durée de congélation selon les conditions du test C2.

- 15 Une très nette amélioration de la stabilité en congélation a été observée pour les souches fil300 par rapport au témoin HL8.16 *leu2* (tableau 1-E). Ainsi, les souches fil300 conservent au moins 60% de leur force fermentative après 1 mois de conservation à la température de -20°C alors que le témoin ne conserve que 40% de sa force fermentative dans les mêmes conditions (tableau 1-E).

| | Test C2 | | |
|--------------|------------------------------|----------|----------|
| | Stabilité en congélation (%) | | |
| | 1 jour | 28 jours | 42 jours |
| HL8.16 leu2 | 100 % | 41 % | 39 % |
| HL816 fil300 | 100 % | 60 % | 53 % |
| HL822 fil300 | 100 % | 62 % | 57 % |

Tableau 1-E : Stabilité en congélation, mesurée par le ratio entre la force fermentative au Nième jour de mesure et la force fermentative au premier jour de congélation (Test C2).

EXEMPLE 2 : Utilisation de cycles de congélation/décongélation comme outil d'isolement de mutants fil à partir d'une souche industrielle

- 10 La souche de départ est la souche S47 déposée au C.N.C.M., 25 rue de Docteur Roux, 75724 Paris, France, sous le numéro I-2037. C'est une souche de levure de panification aneuploïde utilisée industriellement, c'est probablement la meilleure souche utilisée actuellement en France pour la panification en cru surgelé. Elle a été cultivée dans un milieu liquide YPD à 30°C jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Un traitement
- 15 mutagène aux U.V. a alors été réalisé selon la technique décrite par Spencer J.F.T. et Spencer D.M., Chapitre « Yeast genetics » extrait de « Yeast a practical approach » (1988), Campbell et Duffus Eds., de manière à obtenir un taux de survie d'environ 10%. Les cellules ont ainsi été traitées avec une dose d'U.V. (260 nm) de 5 mJ. Elles ont ensuite été cultivées à 30°C sur milieu YE-mélasse gélosé (agar 20 g/l, extrait de
- 20 levure 5 g/l, mélasse 5 g/l, (NH₄)₂HPO₄ 0.5 g/l, pH 5.0-5.5), puis ont été récoltées après 2 à 3 jours par lavage des boîtes avec de l'eau. Des mini-pâtons de 0,5 g ont été façonnés à partir des levures récoltées, selon la composition suivante : farine 56.5 %, NaCl 1.0 %, eau 42.5 %, levures 4.10^8 cellules/gramme de pâton. Ces mini-pâtons ont été incubés à 30°C pendant 30 minutes. Puis ils ont été soumis à 200 cycles successifs
- 25 de congélation à -30°C et décongélation à température ambiante, de manière à n'obtenir que quelques milliers de cellules survivantes (taux de survie inférieur à 0.01%), qui ont été isolées des pâtons.

La résistance à la congélation a ensuite été testée individuellement sur les cellules survivantes, par mesure du taux de survie des cellules après une congélation et par mesure de la perte de capacité fermentative après congélation. Parallèlement, le rendement de croissance sur mélasse et la force fermentative des meilleures souches ont été mesurés.

* Le taux de survie après congélation est mesuré selon les conditions du test T2 avec une phase fermentaire de 30 minutes à 30°C, suivi d'une congélation à -30°C pendant 24 heures, puis d'une décongélation à température ambiante.

* La croissance des souches a été mesurée par le rendement obtenu après une culture de 20 heures sur milieu mélasse gélosé selon le test T5 ; les levures récoltées sont utilisées pour mesurer la force fermentative à 30°C et sur 2 heures, selon les conditions du test A1.

Sur l'ensemble des souches ayant survécu aux traitements successifs de congélation/décongélation en mini-pâtons, 7 souches nommées AT25, AT26, AT27, AT28, AT29, AT30 et AT31 ont été pré-sélectionnées. Les résultats des taux de survie après congélation (test T2) sont donnés dans le tableau 2-A, les rendements de croissance sur mélasse (T5) et la force fermentative (A1) sont donnés dans le tableau 2-B. Même si l'ensemble de ces mutants possède un taux de survie (tableau 2-A) bien meilleur que celui du témoin, il faut tenir compte des rendements de croissance et de la force fermentative de chaque mutant pour la sélection de souches répondant aux critères du phénotype fil (tableau 2-B). C'est pourquoi seules les souches AT25, AT26, AT28 et AT31 ont été retenues à l'issue de ces tests. Des mesures de taux de croissance maximal ont été réalisées selon le test T4 sur ces différents mutants et la souche témoin S47, les résultats sont présentés dans le tableau 2-C.

| | Test T2 | |
|------|---|---|
| | Taux de survie (%) après : | |
| | congélation sans fermentation préalable | congélation avec fermentation préalable |
| S47 | 36 | 17 |
| AT25 | 51 | 47 |
| AT26 | 59 | 42 |
| AT27 | 45 | 40 |
| AT28 | 47 | 39 |
| AT29 | 72 | 32 |
| AT30 | 47 | 28 |
| AT31 | 38 | 27 |

Tableau 2-A

| | Test T5 | Test A1 |
|------|--|---|
| | Rendement de croissance (%) | Force fermentative (ml CO₂) |
| S47 | 67 % | 138 |
| AT25 | 64 % | 116 |
| AT26 | 62 % | 116 |
| AT27 | 47 % | 113 |
| AT28 | 62 % | 120 |
| AT29 | 51 % | 64 |
| AT30 | 62 % | 84 |
| AT31 | 62 % | 133 |

5

Tableau 2-B : Rendement de croissance (exprimé par le ratio entre la quantité de levure produite en 20 heures exprimée à 30% de matières sèches par rapport à la quantité de mélasse utilisée ramenée à 50% de sucre) et force fermentative (exprimée par la quantité de CO₂ dégagée en 2 heures à 30°C) des mutants de la souche S47 et de

10 la souche S47 de départ.

| SOUCHE | TAUX DE CROISSANCE MAXIMAL ou μ_{\max} (h^{-1}) | | |
|--------|---|---------------|--------------|
| | glucose 100 mM | glucose 10 mM | mélasse 0,5% |
| S47 | 0,69 | 0,60 | 0,57 |
| AT25 | 0,60 | 0,61 | 0,54 |
| AT26 | 0,67 | 0,56 | 0,56 |
| AT27 | 0,37 | 0,23 | 0,26 |
| AT28 | 0,61 | 0,62 | 0,60 |
| AT29 | 0,59 | 0,48 | 0,52 |
| AT30 | 0,62 | 0,55 | 0,56 |
| AT31 | 0,63 | 0,60 | 0,57 |

Tableau 2-C : Taux de croissance maximal de la souche S47 et des mutants isolés à partir de la souche S47, sur différents milieux de croissance selon le test T4.

- 5 Afin de voir si les mutations portées par les souches AT25, AT26, AT28 et AT31 affectaient également la voie Ras-AMPc comme dans le cas des souches fil décrites dans l'exemple 1, les niveaux d'AMPc et de tréhalose dans ces différentes souches ont été mesurés. Les mesures de tréhalose ont été réalisées sur des cellules cultivées jusqu'à la phase stationnaire puis soumises à une induction de sa mobilisation ou dégradation
- 10 par ajout de glucose (100 mM). Le niveau initial de tréhalose, qui correspond au niveau de tréhalose en phase stationnaire, est plus élevé pour tous les mutants que pour le témoin ($t=0$, figure 2-1). En présence de glucose, la dégradation du tréhalose est assez rapide pour l'ensemble des souches (mutants et témoin) puisque après 20 minutes et plus, un niveau faible et presque identique de tréhalose est obtenu pour l'ensemble des
- 15 souches. Or le stress imposé dans le cadre du test T2 est réalisé après une incubation de 30 minutes en présence de glucose. Cela confirme, là encore, que le tréhalose ne permet pas d'expliquer les meilleures performances de ces mutants fil. En ce qui concerne l'AMPc, les mesures ont été réalisées sur des cellules en phase exponentielle de croissance sur maltose qui ont été soumises à une induction par du glucose (100
- 20 mM). Dans ces expériences, il n'y a pas de réduction significative du signal AMPc dans les mutants par rapport à la souche témoin S47 (figures 2-2, a & b). Il semblerait donc que les mutants cryorésistants AT25, AT26, AT28 et AT31, qui ont été isolés

suite à des cycles successifs de congélation/ décongélation et qui ont le phénotype fil, portent des mutations qui touchent d'autres cibles que la voie Ras-AMPC.

5 **EXEMPLE 3 : Identification de la mutation *fill* et reconstruction de souches portant la mutation *fill***

Des croisements entre la souche PVD1150 et d'autres souches ont montré que la mutation *fill* était localisée à proximité d'un centromère. La souche PVD1150 a donc
10 été recroisée avec différentes souches haploïdes portant des marqueurs génétiques situés à proximité des centromères de chaque chromosome et une analyse a été effectuée sur les tétrades issues de la sporulation des diploïdes obtenus.

Il a ainsi été déterminé que la mutation *fill* était localisée à proximité du centromère du chromosome X. La souche PVD1150 a donc été complémentée avec chacun des gènes
15 situés dans cette région, selon la stratégie générale suivante :

- transformation de la souche PVD1150 par des plasmides centromériques portant chacun un des gènes situés à moins de 25 kb du centromère du chromosome X,
- recherche des clones transformants ayant perdu le phénotype de thermorésistance,
- isolement du gène portant la mutation à partir du mutant PVD1150 par la technique
20 de « gap-filling » définie ci-après et illustrée par la figure 3-1 ; retransformation de la souche PVD1150 avec le gène muté ainsi isolé de manière à vérifier qu'il ne s'agit pas d'un gène suppresseur,
- séquençage du gène muté issu de PVD1150 et de son allèle sauvage issu de M5 pour identifier et localiser la mutation,
- 25 - réintroduction par recombinaison homologe du gène muté dans au moins une autre souche de laboratoire thermosensible et vérification de l'obtention du phénotype fil démontrant la monogénicité de la mutation et sa non dépendance du contexte génétique de la souche mutée d'origine PVD1150.

Cette stratégie de complémentation a été réalisée de la manière suivante : toutes les
30 constructions ont été réalisées selon les techniques habituelles et notamment selon

l'ouvrage « MOLECULAR CLONING », J. Sambrook, E.F. Fritsch, T. Maniatis, Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989.

1/ Transformation de la souche PVD1150 par des plasmides centromériques portant chacun un des gènes situés à moins de 25 kb du centromère du chromosome X

- 5 Chaque gène situé à moins de 25 kb du centromère a été amplifié par PCR, puis cloné dans le vecteur YCplac33 (Gietz R.D. et Sugino A. (1988), Gene, 74, pp.527-534) qui porte le gène *URA3*. Chacun des vecteurs obtenus est utilisé pour transformer la souche PVD1150 (auxotrophe pour l'uracile). La présence des plasmides est ensuite vérifiée sur les transformants obtenus.

10 2/ Recherche des clones transformants ayant perdu le phénotype de thermorésistance

- Les différents transformants portant chacun, sur un vecteur monocopie, l'un des gènes situés au plus à 25 kb du centromère du chromosome X, ont été testés pour leur perte de thermorésistance. Chaque souche PVD1150 portant l'un des gènes situés autour du centromère du chromosome X est déposée en stries sur un milieu YPD-A préchauffé à 15 57°C, qui est incubé pendant 90 minutes à 57°C. En parallèle, la souche PVD1150 qui porte un plasmide monocopie sans insert, en l'occurrence le vecteur YCplac33 est utilisée comme témoin non complémenté. Après ce traitement thermique, les souches sont incubées à 30°C jusqu'au développement de la croissance du témoin (apparition d'un tapis cellulaire). Les souches portant un gène qui complémente la mutation *fil* 20 sont celles qui ne se sont pas encore développées.

- Les résultats de ces tests ont permis de montrer que la mutation *fil* était localisée dans le gène *CYR1* (nommé également CDC35), puisque seul ce gène était capable de complémenter le phénotype *fil* dans la souche PVD1150. Le gène *CYR1/CDC35* code pour l'adénylate cyclase, enzyme de la voie Ras-AMPc qui permet la synthèse d'AMPc 25 à partir d'ATP. Ce résultat est cohérent avec le fait que la souche PVD1150 présente un niveau réduit d'AMPc (exemple 1).

- De manière à vérifier que la perte de thermorésistance était effectivement liée à la présence du gène *CYR1/CDC35* sauvage apporté par le plasmide, la souche PVD1150 contenant le vecteur YCplac33-CYR1 a été cultivée sur du milieu YPD, un milieu non 30 sélectif permettant de perdre rapidement le plasmide. Des colonies ont été isolées de cette culture sur un milieu YPD-A, puis répliquées sur milieu sélectif SD-URA (milieu

dépourvu d'uracile) pour rechercher les clones qui ne poussent pas et qui ont donc perdu le plasmide. Un test de thermorésistance identique au précédent confirme que l'ensemble de ces clones ayant perdu le plasmide sont redevenus thermorésistants.

3/ Isolement du gène portant la mutation à partir du mutant PVD1150

- 5 La délétion du gène CDC35/CYR1 est connue pour entraîner la létalité des souches. Il était indispensable d'isoler le gène muté.

Le gène muté de la souche PVD1150 a été cloné par la technique de « gap-filling » [Iwasaki, T. et coll. (1991) *Gene*, 109, pp.81-87] ou « allele rescue » [Orr-Weaver, T.L. et coll. (1983) « *Methods Enzymol.* », 101, pp.228-245].

- 10 La méthode a été appliquée à la souche PVD1150 en la transformant avec le plasmide YCplac33-CYR1 digéré par l'enzyme *Sna*BI (figure 3-1). Les transformants poussant sur milieu minimum dépourvu d'uracile (milieu SD-URA) ont ensuite été sélectionnés. Ces transformants ne peuvent croître que s'il y a eu recircularisation du vecteur, notamment par un événement de double recombinaison ayant intégré la partie
- 15 manquante du gène grâce au gène *CYR1* muté dans la souche PVD1150 (figure 3-1). Parallèlement, la souche M5 a été transformée avec le vecteur YCplac33-CYR1 digéré par *Sna*BI, puis les transformants ont été sélectionnés sur milieu minimum, de manière à obtenir un vecteur portant le gène *CYR1* non muté issu de la souche témoin M5.

La souche PVD1150 a alors été retransformée :

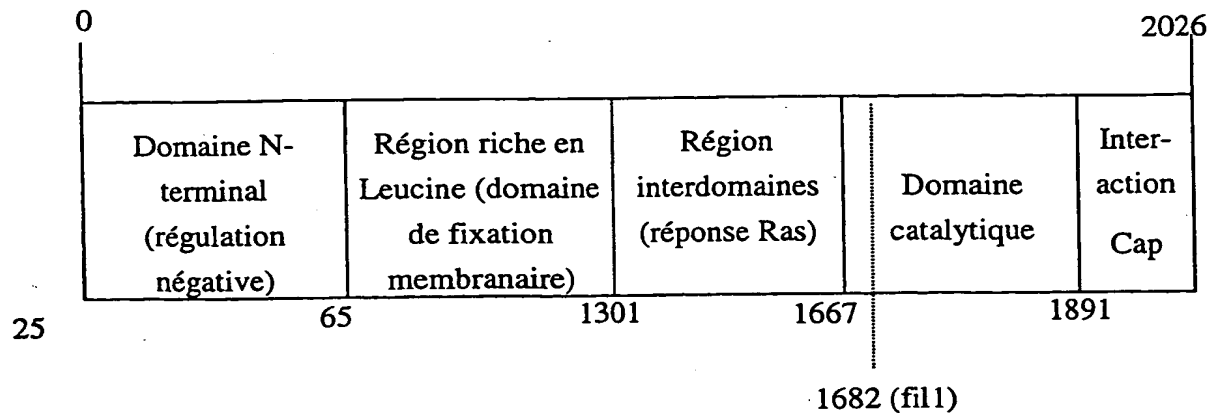
- 20 - avec le vecteur YCplac33-CYR1^{mut} qui porte le gène muté issu du vecteur YCplac33-CYR1 digéré par *Sna*BI et rempli par gap-filling dans la souche PVD1150,
- avec le vecteur YCplac33-CYR1/S qui porte le gène sauvage issu du vecteur YCplac33-CYR1 digéré par *Sna*BI et rempli par gap-filling dans la souche M5.
- 25 Le niveau de thermorésistance de ces deux souches a ensuite été comparé à l'aide du test suivant : dépôt des cellules en stries sur milieu gélosé YPD-A préchauffé à 57°C et incubé à 57°C pendant 90 minutes. Comme attendu, le gène muté ne complémente pas la mutation ; en revanche, le gène *CYR1* sauvage rend la souche PVD1150 thermosensible.

4/ Séquençage du gène muté (issu de PVD1150) et de son allèle sauvage (issu de M5)
pour identifier et localiser la mutation

Le gène muté *CYRI*^{mut} issu de PVD1150 et le gène *CYRI* sauvage issu de M5 ont été séquencés en parallèle par la technique de séquençage direct sur produits de PCR obtenus par amplification de fragments couvrant tout le gène, ce qui a permis la localisation de la mutation *fil1*. Il s'agit d'un changement d'une base G en une base A en position n°5044 de la partie codante du gène *CYRI* (gène référencé sous le nom YJL005w chez *Saccharomyces cerevisiae*). Cela correspond également à un changement en position 429888 du chromosome X, selon la classification du MIPS (Munich Information Center for Protein Sequence). Ce changement est représenté dans le tableau ci-dessous.

| | <u>Souche témoin</u> | <u>Souche <i>fil1</i></u> |
|----|----------------------|---------------------------|
| | glu | lys |
| 15 | GG GAG CT | GG AAG CT |
| | CC CTC GA | CC TTC GA |

La mutation a été vérifiée à la fois par le séquençage d'un mélange de trois produits PCR indépendants et aussi par le séquençage du brin d'ADN complémentaire. Ce changement conduit au passage d'un acide glutamique en lysine en position 1682 de la protéine. Il intervient dans la région codant pour le site catalytique de l'enzyme, et à proximité de la région qui est supposée être impliquée dans l'activation de l'adénylate cyclase par les protéines Ras :



5/ Réintroduction (par recombinaison homologue) du gène muté dans des souches de laboratoire thermosensibles et étude du phénotype associé

a/ Construction du plasmide pUC18-CYR1^{mut}- URA3 [Sn]

Le fragment PstI-BamHI du vecteur Ycplac33-CYR1^{mut}, fragment qui contient la
 5 partie 3' du gène *CYR1*^{mut} (mutation *fill* incluse) a été sous-cloné dans le vecteur
 pUC18. Puis le marqueur d'auxotrophie *URA3*, issu du vecteur pJJ242 (Jones et
 Prakash (1990) Yeast, 6, pp.363-366) a été inséré dans ce nouveau vecteur, en aval de
 la partie codante du gène *CYR1*^{mut} dans la région 3' non codante, au niveau d'un site
 de restriction unique (*SnaBI*). Le vecteur obtenu, nommé pUC18-CYR1^{mut}-URA3 est
 10 présenté dans la figure 3-3.

b/ Transformation des souches haploïdes de levures M5 et SP1

Le vecteur pUC18-CYR1^{mut}-URA3 a été hydrolysé par l'enzyme appropriée (en
 l'occurrence *BalI*), ce qui a permis de libérer un fragment linéaire de 3,2 kb contenant la
 mutation *fill*, le marqueur *URA3* ainsi que des séquences aux extrémités permettant la
 15 recombinaison homologue. Ce fragment a été utilisé pour transformer des souches de
 laboratoire : la souche M5 (*ura3*, *trp1*, *leu2*) qui est un haploïde vrai 16n issu de la
 souche M5 2n décrite par Schaaf et coll. (1989) Curr. Genet., 15, pp.78-81, et la
 souche SP1 (*ura3*, *trp1*, *leu2*, *ade8*) décrite par Toda et coll. (1985) Cell, 40, pp.27-36.
 La présence de la mutation a ensuite été recherchée sur quelques uns des transformants
 20 ainsi obtenus, par séquençage de la zone portant en principe la mutation. Cela nous a
 permis d'isoler des souches M5 *fill* et SP1 *fill*.

c/ Recherche du phénotype de thermorésistance

La thermorésistance des souches M5 *fill* et SP1 *fill* a été comparée à celle de leurs
 témoins respectifs (M5 et SP1) selon les conditions du test T1 avec une incubation en
 25 présence de glucose de 30 minutes à 30°C et un traitement thermique de 20 minutes à
 52°C.

Les résultats concernant les souches M5 *fill* et SP1 *fill* reconstruites, qui sont
 présentés dans le tableau 3-A montrent que ces souches présentent effectivement un
 phénotype de thermorésistance, qui n'est pas observé dans les souches témoin.

| Souche d'origine | Viabilité résiduelle après traitement à 52°C (%) | |
|------------------|--|--------------------|
| | souche sauvage | souche <i>fil1</i> |
| M5 | 9 % | 96 % |
| SP1 | 1 % | 16 % |

Tableau 3-A : Viabilité résiduelle après choc thermique à 52°C des souches *fil1* reconstruites et de leurs témoins.

5

EXEMPLE 4 : Caractérisation de la mutation *fil2*

La souche KL1(=W303 *fil2*) a été isolée à partir de la souche W303-1A (Thomas et Rothstein (1989) Cell, 56, pp.619-630) selon un protocole de recherche de souches *fil* similaire à ceux développés dans l'exemple 1. La mutation *fil2* est monogénique et récessive. Dans un premier temps, un test de thermorésistance a permis de confirmer l'amélioration apportée par la mutation *fil2*. Il a ensuite été mis en évidence une résistance croisée aux stress. Il a été constaté que la souche mutée *fil2* était bien une mutation *fil*, car cette souche mutée n'était pas affectée significativement par rapport à la souche de départ quant à sa croissance ou son activité fermentative. Comme il s'agit d'une souche de laboratoire, le gène portant la mutation a été recherché.

a/ Résistances aux stress

Pour mesurer la résistance aux stress thermiques (chaleur et congélation), les souches KL1 et W303-1A ont été cultivées sur milieu YPD à 30°C jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. Après centrifugation, les cellules ont été resuspendues dans du milieu YP et incubées à 30°C. Au bout de 30 minutes, du glucose a été ajouté jusqu'à atteindre une concentration finale de 100 mM dans le milieu. Dans le cas du stress à la chaleur, l'incubation à 30°C a été poursuivie pendant 30 minutes, puis les cellules ont été incubées à 52°C pendant 30 minutes. Dans le cas de la congélation, l'incubation à 30°C a été poursuivie pendant 90 minutes, puis les cellules ont été resuspendues dans du milieu YP glacé et congelées à -30°C pendant 2 jours puis décongelées à 30°C. Quatre cycles successifs de congélation/ décongélation ont été effectués.

Ces deux tests ont permis de montrer qu'il existait une corrélation entre la thermorésistance et la résistance à la congélation dans le cas de la mutation *fil2*. La souche KL1 présente ainsi un taux de survie de 80% après traitement à la chaleur contre 20% pour la souche témoin W303-1A ; de même après congélation dans le test sévère effectué, le taux de survie du mutant KL1 est près de 4 fois supérieur à celui du témoin : environ 30% pour KL1 contre environ 8% pour W303-1A.

b/ Localisation du gène muté

Une stratégie identique à celle ayant permis la localisation de la mutation *fil1* (cf. exemple 3) a été réalisée. Il a ainsi été déterminé que la mutation *fil2* était localisée à proximité du centromère du chromosome IV. La souche KL1 a donc été complémentée avec chacun des gènes situés dans cette région, selon la stratégie générale décrite dans l'exemple 3 :

- transformation de la souche KL1 (auxotrophe pour l'uracile) par des plasmides centromériques portant chacun un des gènes situés à moins de 60 kb du centromère du chromosome X
- recherche des clones transformants ayant perdu le phénotype de thermorésistance
- isolement du gène portant la mutation à partir du mutant KL1 ; retransformation de la souche KL1 avec le gène ainsi isolé de manière à vérifier qu'il ne s'agit pas d'un gène suppresseur.

Les résultats des tests de complémentation ont permis de montrer que la mutation *fil2* était localisée dans le gène *GPR1*. Ce gène code pour un récepteur potentiel couplé à une protéine G et il est supposé initier la voie de signalisation associée à la protéine G codée par le gène *GPA2* (Xue, Y et coll. (1998) EMBO Journal 17 : 1996-2007).

De manière à vérifier que le phénotype de thermorésistance était effectivement associé à une mutation sur le gène *GPR1*, le niveau de thermorésistance de la souche KL1 a été comparé à celui de la souche W303-1A dans laquelle le gène *GPR1* a été délété (délétion non létale), ainsi qu'à celui du témoin thermosensible W303-1A. Les résultats montrent clairement que la délétion du gène *GPR1* permet d'obtenir un niveau élevé de thermorésistance. Par ailleurs, le diploïde obtenu par croisement entre KL1 et W303-1A *gpr1Δ* présente un niveau de thermorésistance aussi élevé que celui des souches

KL1 et W303-1A *gpr1*Δ, ce qui confirme que la mutation *fil2* touche effectivement le gène *GPR1*.

Le gène *GPR1* muté de manière à conférer le phénotype *fil2* peut être isolé selon la technique décrite à l'exemple 4 et il permettra de transformer des souches industrielles de manière à obtenir des souches industrielles ayant le phénotype *fil2*.

Dans l'allèle *fil2* du gène *GPR1*, la mutation point suivante a été trouvée : la base 948 à partir du départ de la phase codante, c'est-à-dire de l'ATG, est changée, une Thymine (T) devient une Adénine(A). Le codon dans la souche sauvage est TAT qui code pour une Tyrosine en position 316 dans la protéine, il est changé en TAA qui code un STOP. L'allèle *fil2* apparaît coder pour une version tronquée de la protéine Gpr1 qui contient en tout 962 acides aminés. L'acide aminé 316 avant lequel s'arrête la synthèse de la protéine *fil2* tronquée, est situé dans la 3^{ème} boucle intracellulaire de la protéine réceptrice Gpr1. C'est cette boucle qui est connue pour interagir dans les protéines réceptrices de mammifères avec la protéine G, c'est probablement cette boucle qui interagit dans la levure avec la protéine Gpa2.

EXEMPLE 5 : Performances de souches fil en séchage

Le phénotype *fil* est particulièrement intéressant pour obtenir des levures sèches plus actives, car il permet de soumettre au séchage des biomasses plus actives, notamment plus riches en azote, sans perte dramatique d'activité fermentative lors du séchage.

Les deux souches *fil1* reconstruites obtenues comme décrit dans l'exemple 3 et la souche S47 *fil500* (= AT28) obtenues comme décrit dans l'exemple 2 et les souches de départ correspondantes ont été cultivées selon des procédés classiques en fed batch en cuve pilote de quelques litres utiles comme décrit dans les brevets US 4318929, 4318930 et 4396632 de manière à obtenir une biomasse très active et riche en azote, c'est-à-dire à plus de 8% d'azote sur matières sèches, de préférence plus de 8,5% d'azote sur matières sèches. Cette biomasse est ensuite séchée par un procédé type fluidisation comme décrit dans les brevets US cités ci-dessus.

a/ Séchage des 2 souches *fil1* reconstruites et des 2 souches de départ M5 et SP1

La force fermentative de la biomasse obtenue avec chacune des 4 souches avant séchage, c'est-à-dire sous forme fraîche à environ 30% de matières sèches a été mesurée selon le test A20. La force fermentative des levures sèches à environ 95% de matières sèches a été mesurée selon le test A'20. Comme dans le cadre d'un tel test pilote, les forces fermentatives en valeur absolue n'ont guère de signification, on a affecté la perte au séchage obtenue avec chaque souche de départ du coefficient 100 et on a exprimé la perte au séchage des souches reconstruites *fil1* obtenues selon l'exemple 3 en pourcentage de la perte au séchage de la souche de départ. Ces résultats sont donnés dans le tableau 5A.

| | Perte de force des levures sèches exprimée en pourcentage de la perte de force du témoin | |
|------------------------|--|----------------------|
| | réhydratation à 20°C | réhydratation à 38°C |
| M5 | 100 | 100 |
| M5 <i>fil1</i> | 44 | 26 |
| SP1 | 100 | 100 |
| SP1 <i>fil1</i> | 49 | 52 |

Tableau 5-A : Evaluation de la perte de force au séchage des souches *fil1* reconstruites et de leur témoin.

Ces résultats montrent que le gène *fil1*, c'est-à-dire le gène *CYRI/CDC35* portant la mutation *fil1* permet de construire des souches industrielles qui présenteront une perte au séchage bien inférieure sous forme d'une biomasse très active, riche en azote, c'est-à-dire à environ 9% d'azote sur matières sèches, et qui permettront donc d'obtenir des levures sèches beaucoup plus actives que celles connues actuellement.

b/ Séchage de la souche S47 et de la souche S47 *fil500*

La même expérience a été réalisée avec la souche S47 *fil500* obtenue dans le cadre d'une sélection basée sur la résistance à la congélation en phase de fermentation, compte tenu que très souvent les résistances au stress sont croisées. Les forces fermentatives ont été mesurées selon le test A1 pour la levure fraîche, et le test A'1

pour la levure sèche avec réhydratation à 30°C. Les résultats sont donnés dans le tableau 5-B.

| Perte de force des levures sèches exprimée en pourcentage de la perte de force du témoin réhydratation à 20°C | |
|---|-----|
| S47 | 100 |
| S47 fil500 | 66 |

- 5 **Tableau 5-B** : Evaluation de la perte de force au séchage de la souche S47 fil500 et de son témoin.

Ce tableau 5-B confirme que le phénotype fil permet de diminuer la perte au séchage des levures très actives et donc d'obtenir des levures sèches très actives.

10

EXEMPLE 6 : Utilisation de souches fil en pâtons congelés

- Dans cet exemple, sont décrits les résultats en congélation de souches fil obtenues dans l'exemple 2 : la souche S47 fil400 (=AT25), la souche S47 fil500 (=AT28) et la souche AT26. La stabilité en congélation de ces souches fil est comparée à celle de la souche S47, souche témoin dont elles sont issues. Pour cela, il a été suivi la perte de dégagement de CO₂ associée à une conservation prolongée dans des pâtons congelés à -20°C.

- Les levures sont cultivées sur mélasse, en fed batch sur fermenteur pilote de manière à obtenir des biomasses actives ayant une teneur en azote maximale de 8% sur matières sèches, puis utilisées pour façonner des pâtons, selon les conditions décrites dans le test C1. Pour chaque souche, la valeur de dégagement gazeux de référence correspond à la valeur de dégagement gazeux mesurée après 1 jour de conservation à -20°C. Les autres pâtons sont décongelés après 1 semaine, 2 semaines, 3 semaines, 4 semaines et 6 semaines ; ils permettent de suivre l'évolution de l'activité fermentative en fonction de la durée de conservation à -20°C. Par ailleurs, la stabilité en pâton de chaque souche après n jours de conservation à -20°C est mesurée par le rapport suivant :

dégagement de CO₂ au nième jour de conservation à -20°C

dégagement de CO₂ au premier jour de conservation à -20°C.

Les résultats sont présentés dans le tableau 6-A (évolution de l'activité fermentative) et la figure 6-1 (stabilité dans des pâtons conservés à -20°C).

- 5 Une très nette amélioration de la stabilité en congélation est observée pour les 3 mutants AT25, AT26 et AT28 (figure-6-1) ; ainsi, la souche témoin S47 conserve après 1 mois 54 % de sa force fermentative de référence, tandis que les mutants conservent, dans les mêmes conditions entre 80 et 87% de leurs forces fermentatives de référence. Par ailleurs, puisque les mutations n'ont pas entraîné de pénalisation importante de la
- 10 force fermentative, les mutants obtiennent rapidement (dès 8 à 15 jours de conservation à -20°C) des niveaux de force fermentative supérieurs au témoin S47 (tableau 6-A).

| | Force fermentative après conservation à -20°C | | | | | |
|------|---|---------|----------|----------|----------|----------|
| | 1 jour | 9 jours | 15 jours | 23 jours | 30 jours | 45 jours |
| S47 | 115 | 102 | 89 | 77 | 62 | 47 |
| AT25 | 104 | 98 | 92 | 87 | 85 | 65 |
| AT26 | 108 | 105 | 99 | 94 | 90 | 69 |
| AT28 | 105 | 100 | 98 | 95 | 91 | 78 |

15 **Tableau 6-A** : Evolution de la force fermentative en fonction de la durée de conservation à -20°C.

REVENDICATIONS

- 1- Procédé d'obtention de nouvelles souches eucaryotes, de préférence de nouvelles souches de levures, et plus préférentiellement encore de souches de *Saccharomyces cerevisiae* conservant une résistance au stress en présence de sucre fermentescible tel que le glucose, caractérisé par le fait qu'il comporte les étapes suivantes :
- 5 on soumet les cellules d'une souche de départ à un traitement mutagène classique,
- 10 on cultive les cellules ayant subi ledit traitement mutagène jusqu'à obtention d'une phase stationnaire,
- on incube lesdites cellules en phase stationnaire en présence d'au moins un sucre fermentescible choisi dans le groupe comprenant le glucose, le maltose et le saccharose, ce sucre étant présent en une quantité déterminée de manière à ce que
- 15 les cellules passent en état de métabolisme actif (fermentation et/ou croissance) de ce sucre,
- on soumet lesdites cellules en état de métabolisme actif à un ou plusieurs stress conduisant à un taux de mortalité d'au moins 99% par rapport à la population de départ,
- 20 on isole les cellules survivantes et
- on sélectionne celles de ces cellules survivantes qui répondent aux critères suivants qui caractérisent le phénotype fil, à savoir :
- une croissance, évaluée par une production ou un rendement de production de biomasse sur sucre en un temps donné ou par un taux de croissance, en conditions
- 25 identiques de culture, au moins égale à 80% de la souche de départ, et de préférence au moins égale à 90% de la souche de départ,
- un dégagement de CO₂, ou une production de métabolite, en conditions identiques, au moins égal à 80%, et de préférence au moins égal à 90% de la souche de départ,
- une résistance au stress, correspondant à un taux de survie au moins 2 fois
- 30 supérieur, de préférence au moins 3 fois supérieur, plus préférentiellement au moins 5 fois supérieur, et encore plus préférentiellement au moins 10 fois supérieur au taux de survie de la souche de départ, dans des conditions identiques

- de phase de croissance suivies d'un choc thermique de 20 minutes à 52°C, ou au moins 1,5 fois supérieur, de préférence au moins 2 fois supérieur, plus préférentiellement au moins 3 fois supérieur, et encore plus préférentiellement au moins 5 fois supérieur au taux de survie de la souche de départ, dans des conditions identiques de phase de croissance suivie d'une congélation de 24 heures à -20°C.
- 2- Procédé selon la revendication 1, caractérisé par le fait que l'on sélectionne les souches qui ont de plus la propriété de conserver, en phase de croissance et/ou fermentation sur sucre fermentescible, au moins 50%, de préférence au moins 60%, plus préférentiellement au moins 70%, et plus préférentiellement encore au moins 80% de leur taux de survie en phase stationnaire mesuré dans de mêmes conditions après un choc à la chaleur ou à la congélation.
- 3- Procédé selon la revendication 1, caractérisé par le fait que les cellules en phase stationnaire, ayant subi le traitement mutagène, sont introduites dans des pâtons soumis à au moins 100 cycles de congélation/décongélation après une première fermentation du pâton de 30 minutes à 30°C.
- 4- Nouvelle souche eucaryote, de préférence de levure et encore plus préférentiellement du genre *Saccharomyces* ayant le phénotype fil, susceptible d'être obtenue par le procédé selon l'une des revendications 1 à 3.
- 5- Nouvelle souche selon la revendication 4, appartenant à l'espèce *Saccharomyces cerevisiae*.
- 6- Nouvelle souche de levure selon l'une des revendications 4 et 5, caractérisée par le fait qu'elle donne un taux de survie, en phase de croissance sur sucre fermentescible, d'au moins 50%, de préférence d'au moins 60%, plus préférentiellement d'au moins 70%, et plus préférentiellement encore d'au moins 75%, après traitement thermique de 20 minutes à 52°C, la phase de croissance étant définie :
- pour les souches de type laboratoire (souches haploïdes ou diploïdes vraies en général auxotrophes) et tous les ségrégeants de souches industrielles, comme une remise en culture sur sucre fermentescible (glucose) de 30 minutes à 30°C après la phase stationnaire.

- pour les souches de type industriel (souches aneuploïdes et polyploïdes) comme une remise en culture sur sucre fermentescible (glucose) 10 minutes à 30°C après la phase stationnaire.
- 5 7- Nouvelle souche de levure de type laboratoire (souche haploïde ou diploïde vraie, en général auxotrophe) et nouveau ségrégeant de souche industrielle selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisés par le fait que leur stabilité en congélation dans des pâtons incubés 60 minutes à 30°C avant congélation et contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 1 g de saccharose, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160mg de matière sèche de la souche considérée, mesurée par le ratio entre le
10 dégagement de CO_2 à 30°C après 1 mois de conservation à -20°C et le dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de conservation à -20°C, est au moins égale à 60 %, de préférence au moins égale à 70 % et de préférence encore au moins égale à 80 %.
- 15 8- Nouvelle souche industrielle de levure (souche aneuploïde et polyploïde) selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisée par le fait que la stabilité en congélation en pâtons incubés 30 minutes à 30°C avant congélation et contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160 mg de matière sèche de la souche considérée, mesurée par le ratio entre le dégagement CO_2 à 30°C après 1 mois de conservation à -20°C et le dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de conservation à -20°C, est au moins supérieure à 80%, de préférence
20 au moins supérieure à 85% et plus préférentiellement au moins supérieure à 90%.
- 25 9- Nouvelle souche de levure selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisée par le fait que sa perte de dégagement gazeux après séchage de la biomasse récoltée en phase proche de la phase exponentielle de croissance est au plus égale à 67%, de préférence au plus égale à 50% et plus préférentiellement encore au plus égale à 30% de la perte de dégagement gazeux après séchage des levures obtenues avec la souche de départ correspondante ou à défaut d'une souche témoin ayant les mêmes caractéristiques.
- 30 10- Nouvelle souche industrielle de levure selon l'une des revendications 4 à 6 et 9, caractérisée par le fait qu'elle permet d'obtenir des levures dont la teneur en azote par rapport à la matière sèche est de 9% et qui perdent moins de 30%, de préférence moins de 25% et plus préférentiellement encore moins de 20%. de leur activité fermentative au séchage.

- 11- Nouvelle souche PVD1150 = M5 fil1 déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2031.
- 12- Nouvelle souche KL1 = W303 fil2 déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2032.
- 13- Nouvelle souche FD51 = HL816 fil300 déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2033.
- 14- Nouvelle souche FDH16-22 = HL822 fil300 déposée au C.N.C.M. sous le
5 n° I-2034.
- 15- Nouvelle souche AT25 = S47 fil400 déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2035.
- 16- Nouvelle souche AT28 = S47 fil500 déposée au C.N.C.M. sous le n° I-2036.
- 17- Gène muté conférant le phénotype fil susceptible d'être isolé à partir d'une des
souches mutantes pouvant être obtenues par le procédé selon l'une des
10 revendications 1 à 3.
- 18- Gène selon la revendication 17 caractérisé par le fait que ledit gène ou lesdits
gènes sont le ou les gènes qui confèrent le phénotype fil à l'une des souches selon
l'une des revendications 4 à 16.
- 19- Gène *CDC35* = *CYRI* portant une mutation conférant le phénotype fil.
- 15 20- Gène selon la revendication 19 caractérisé par le fait que la mutation est un
changement d'une base G en une base A dans la région du gène *CDC35/CYRI*
codant pour le site catalytique de l'enzyme, équivalent à un changement d'un acide
aminé acide (acide glutamique) en un acide aminé basique (lysine) en position
1682 de la protéine.
- 20 21- Gène *GPRI* portant une mutation conférant le phénotype fil.
- 22- Gène selon la revendication 21 portant la mutation de la souche KL1=W303 fil 2.
- 23- Gène ayant des propriétés similaires ou équivalentes à un des gènes selon l'une des
revendications 18 à 22, c'est-à-dire gène appartenant à la famille des gènes :
 - codant pour des protéines ayant une fonction comparable à celle d'une protéine
25 codée par un des gènes selon l'une des revendications 18 à 22 chez la levure ou
un autre eucaryote ;

- codant pour des protéines associées à la protéine codée par un des gènes selon l'une des revendications 18 à 22 ;
 - codant pour des protéines ayant des similarités de séquences, c'est-à-dire au moins 68% d'homologie, de préférence au moins 70% d'homologie et plus préférentiellement encore au moins 80% d'homologie avec la protéine codée
- 5 par l'un des gènes selon l'une des revendications 18 à 22 ;

et portant une mutation conférant le phénotype fil.

- 24- Gène selon la revendication 23 caractérisé par le fait qu'il code pour une protéine associée à la protéine codée par le gène *GPR1* selon la revendication 21 comme les
- 10 gènes *GPA*, de préférence comme le gène *GPA2* de la levure et que ledit gène porte une mutation conférant le phénotype fil.
- 25- Souche eucaryote transformée de manière à ce qu'au moins certains des allèles du gène selon l'une des revendications 17 à 24 ou des analogues de ces gènes portent une mutation conférant le phénotype fil.
- 15 26- Souche de levure transformée de manière à ce que certains des allèles du gène, objet de l'une des revendications 17 à 24, portent une mutation conférant le phénotype fil à la souche.
- 27- Application d'une des souches, objet de l'une des revendications 4 à 16 et 26, pour l'obtention de levures de panification destinées aux pâtes congelées.
- 20 28- Application d'une des souches, objet de l'une des revendications 4 à 16 et 26, pour l'obtention de levures de panification sèches.
- 29- Application d'une des souches, objet de l'une des revendications 4 à 16 et 26, pour l'obtention de levures de brasserie.
- 30- Application d'une des souches, objet de l'une des revendications 4 à 16 et 26, pour
- 25 l'obtention de levures destinées à la production d'alcool.
- 31- Application d'une des souches, objet de l'une des revendications 4 à 16, 25 et 26, à toutes utilisations industrielles exigeant que la souche mise en œuvre soit à la fois résistante à un stress et en métabolisme actif.

- pour les souches de type industriel (souches aneuploïdes et polyploïdes) comme une remise en culture sur sucre fermentescible (glucose) 10 minutes à 30°C après la phase stationnaire.
- 5 7- Nouvelle souche de levure de type laboratoire (souche haploïde ou diploïde vraie, en général auxotrophe) et nouveau ségrégeant de souche industrielle selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisés par le fait que leur stabilité en congélation dans des pâtons incubés 60 minutes à 30°C avant congélation et contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 1 g de saccharose, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160mg de matière sèche de la souche considérée, mesurée par le ratio entre le
10 dégagement de CO_2 à 30°C après 1 mois de conservation à -20°C et le dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de conservation à -20°C, est au moins supérieure à 60 %, de préférence au moins supérieure à 70 % et de préférence encore au moins supérieure à 80 %.
- 15 8- Nouvelle souche industrielle de levure (souche aneuploïde et polyploïde) selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisée par le fait que la stabilité en congélation en pâtons incubés 30 minutes à 30°C avant congélation et contenant 20 g de farine, 15 g d'eau, 0,405 g de NaCl, 0,06 g de $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ et 160 mg de matière sèche de la souche considérée, mesurée par le ratio entre le dégagement CO_2 à 30°C après 1 mois de conservation à -20°C et le dégagement de CO_2 à 30°C après 1 jour de
20 conservation à -20°C, est au moins supérieure à 80%, de préférence au moins supérieure à 85% et plus préférentiellement au moins supérieure à 90%.
- 25 9- Nouvelle souche de levure selon l'une des revendications 4 à 6, caractérisée par le fait que sa perte de dégagement gazeux après séchage de la biomasse récoltée en phase proche de la phase exponentielle de croissance est au plus égale à 67%, de préférence au plus égale à 50% et plus préférentiellement encore au plus égale à 30% de la perte de dégagement gazeux après séchage des levures obtenues avec la souche de départ correspondante ou à défaut d'une souche témoin ayant les mêmes caractéristiques.
- 30 10- Nouvelle souche industrielle de levure selon l'une des revendications 4 à 6 et 9, caractérisée par le fait qu'elle permet d'obtenir des levures dont la teneur en azote par rapport à la matière sèche est de 9% et qui perdent moins de 30%, de préférence moins de 25% et plus préférentiellement encore moins de 20%. de leur activité fermentative au séchage.

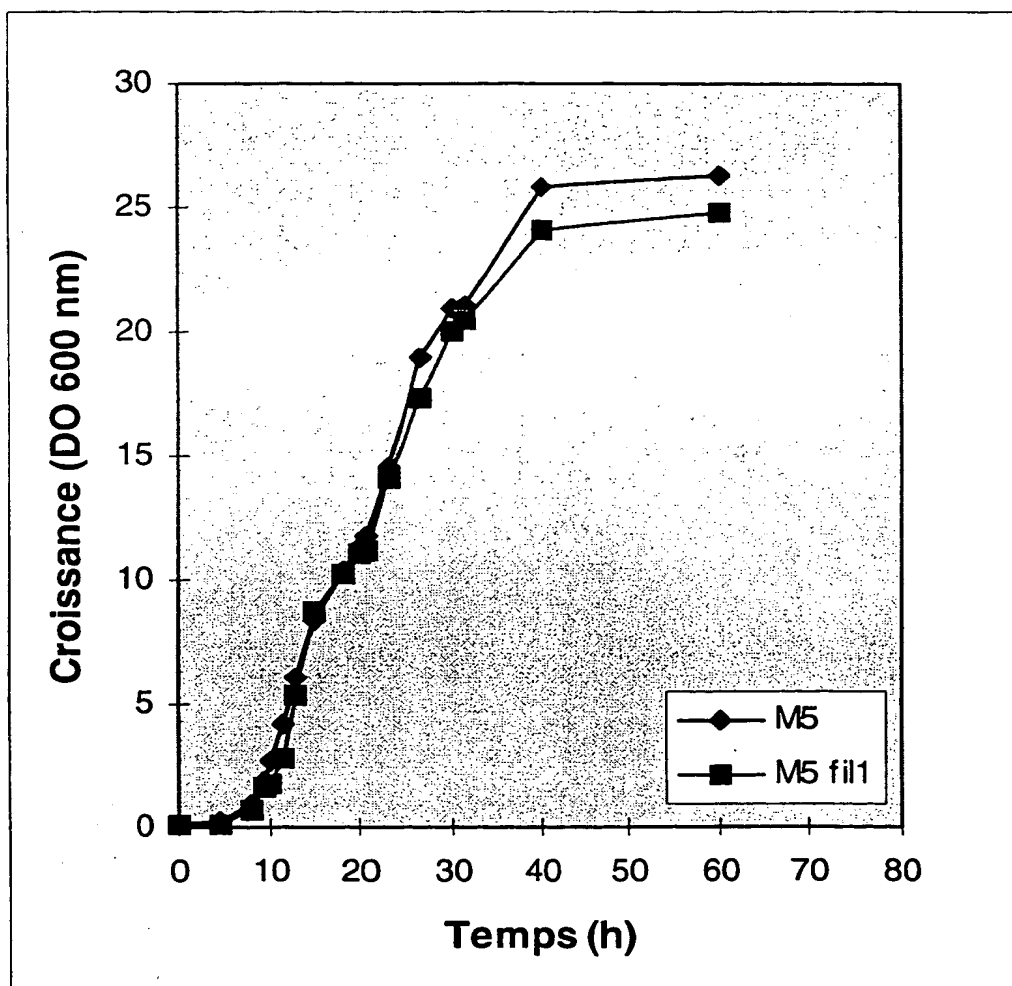


Figure 1-1 : Croissance des souches M5 et M5 *fil1* sur milieu YPD à 30°C et sous agitation (180 tours/min)

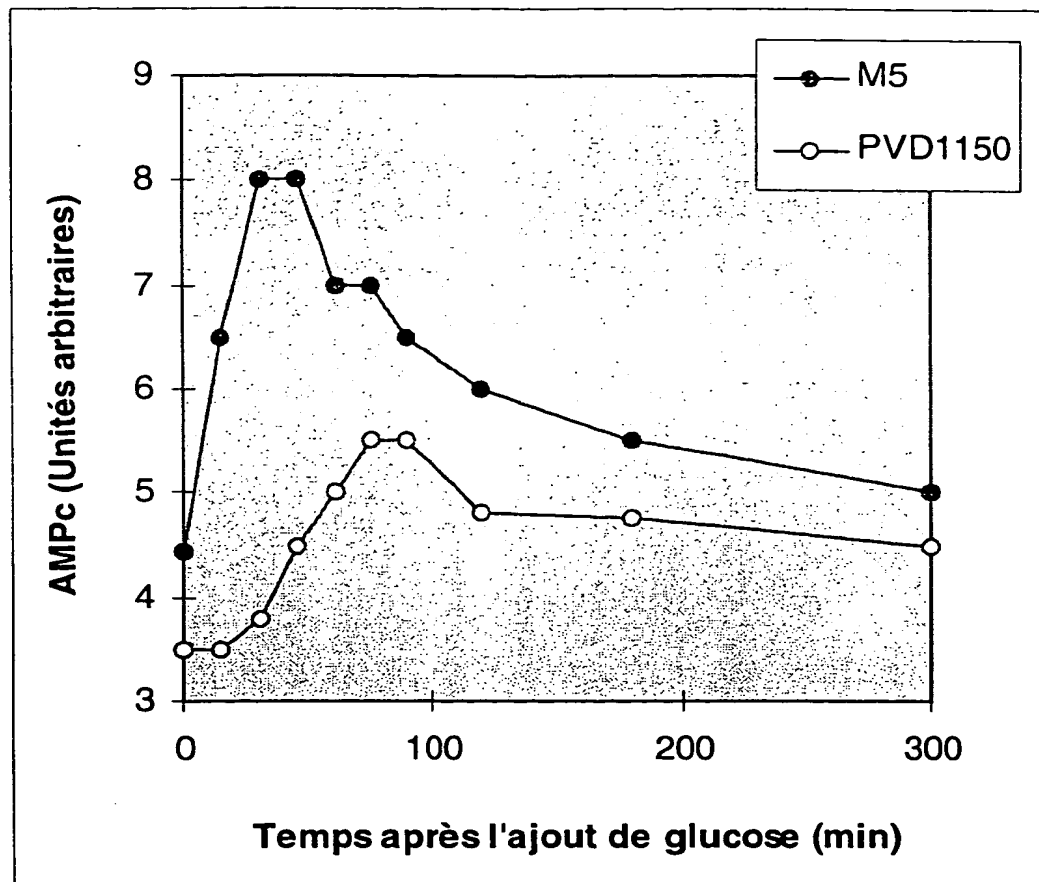


Figure 1-2 : Réponse AMPc (Unités Arbitraires) des souches PVD1150 et M5 après ajout de glucose (à 100 mM) à des cellules cultivées sur milieu glycérol jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire.

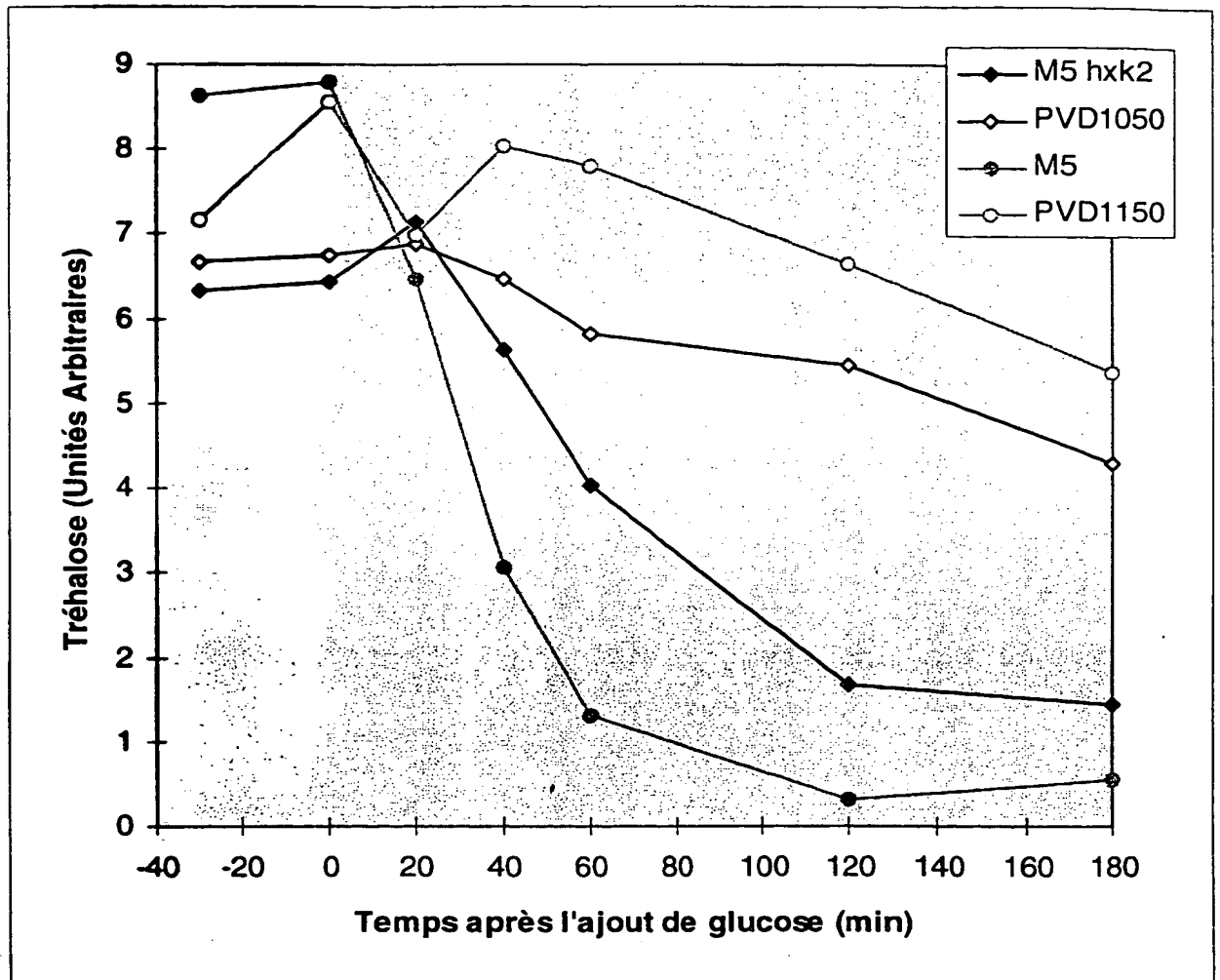


Figure 1-3 : Suivi de la dégradation du tréhalose (Unités Arbitraires) dans les souches PVD1050, PVD1150 et leurs témoins respectifs M5 *hxx2*Δ et M5, après une induction par le glucose (200 mM) sur des cellules en phase stationnaire.

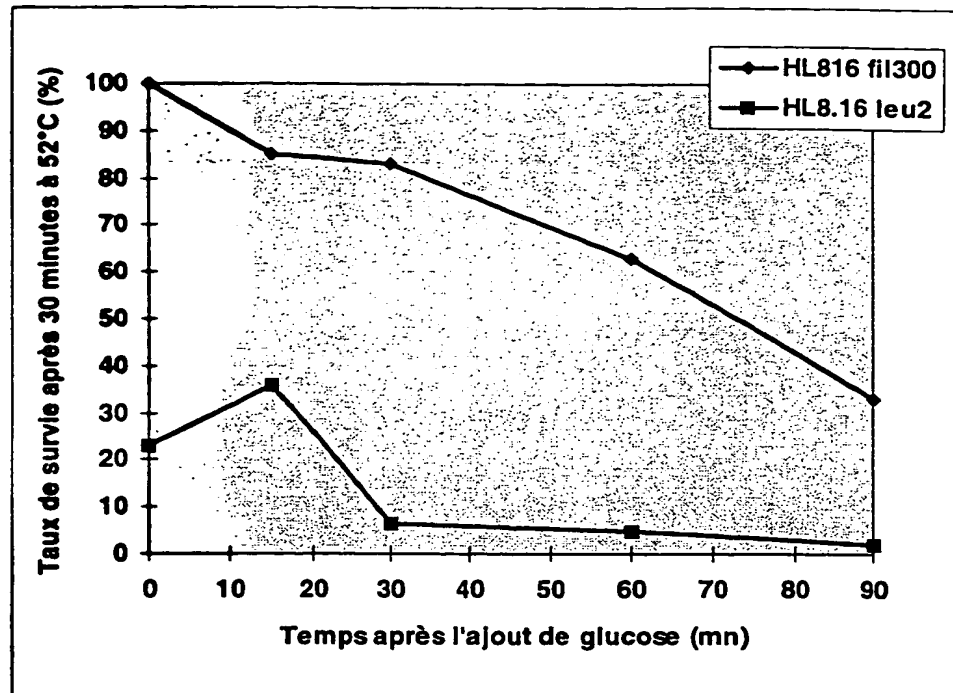


Figure 1-4 : Taux de survie des souches HL8.16 leu2 et HL816 fil300 après un choc thermique de 30 minutes à 52°C. Les cellules sont cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire, puis incubées à 30°C en présence de glucose pendant 0 à 90 minutes, avant d'être traitées thermiquement.

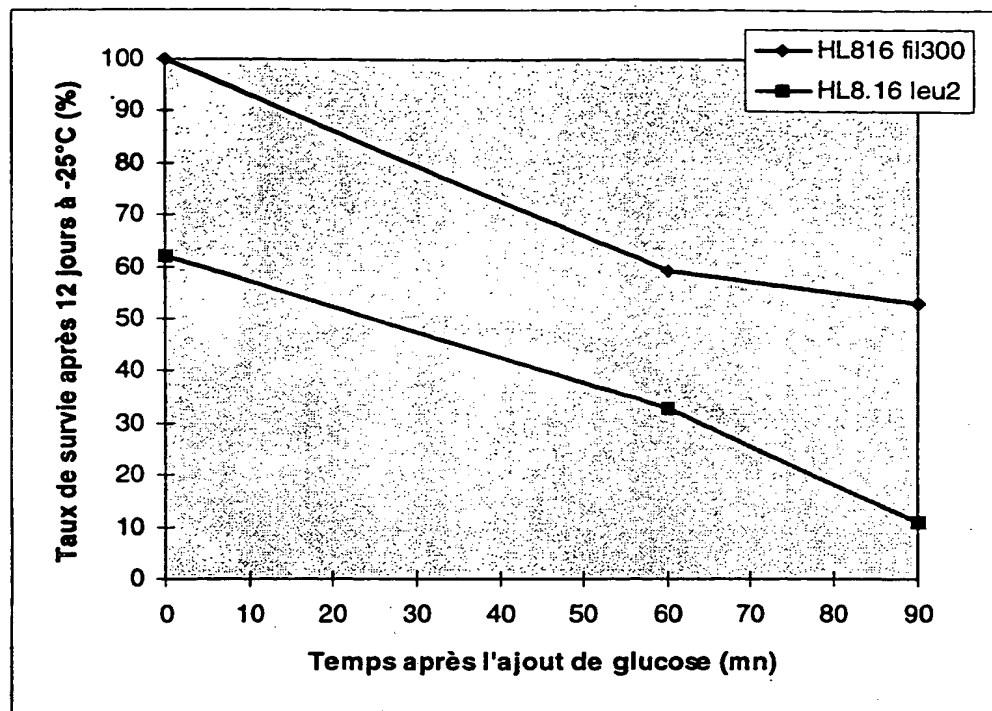


Figure 1-5 : Taux de survie des souches HL8.16 leu2 et HL816 fil300 après une congélation de 12 jours à -25°C.

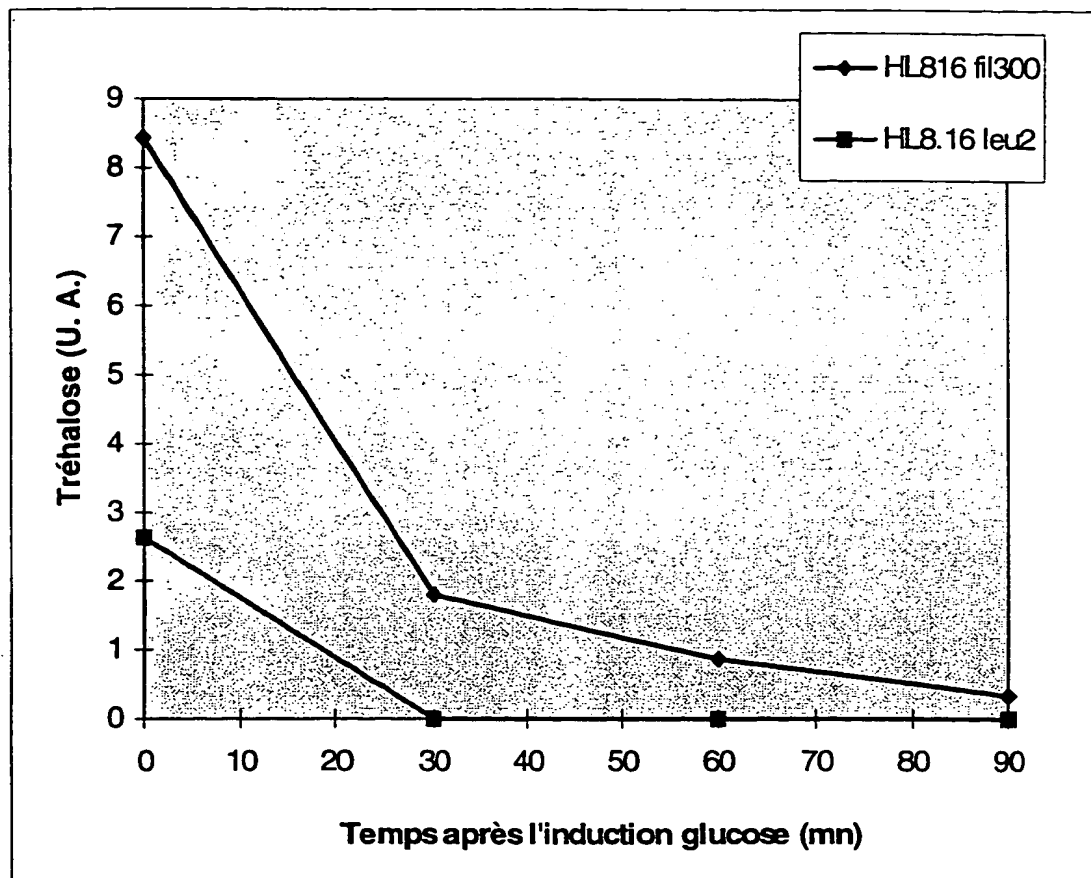


Figure 1-6 : Taux de tréhalose (Unités Arbitraires) dans les souches HL8.16 leu2 et HL816 fil300. Les souches sont cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire, puis du glucose (100 mM) est ajouté à $t=0$.

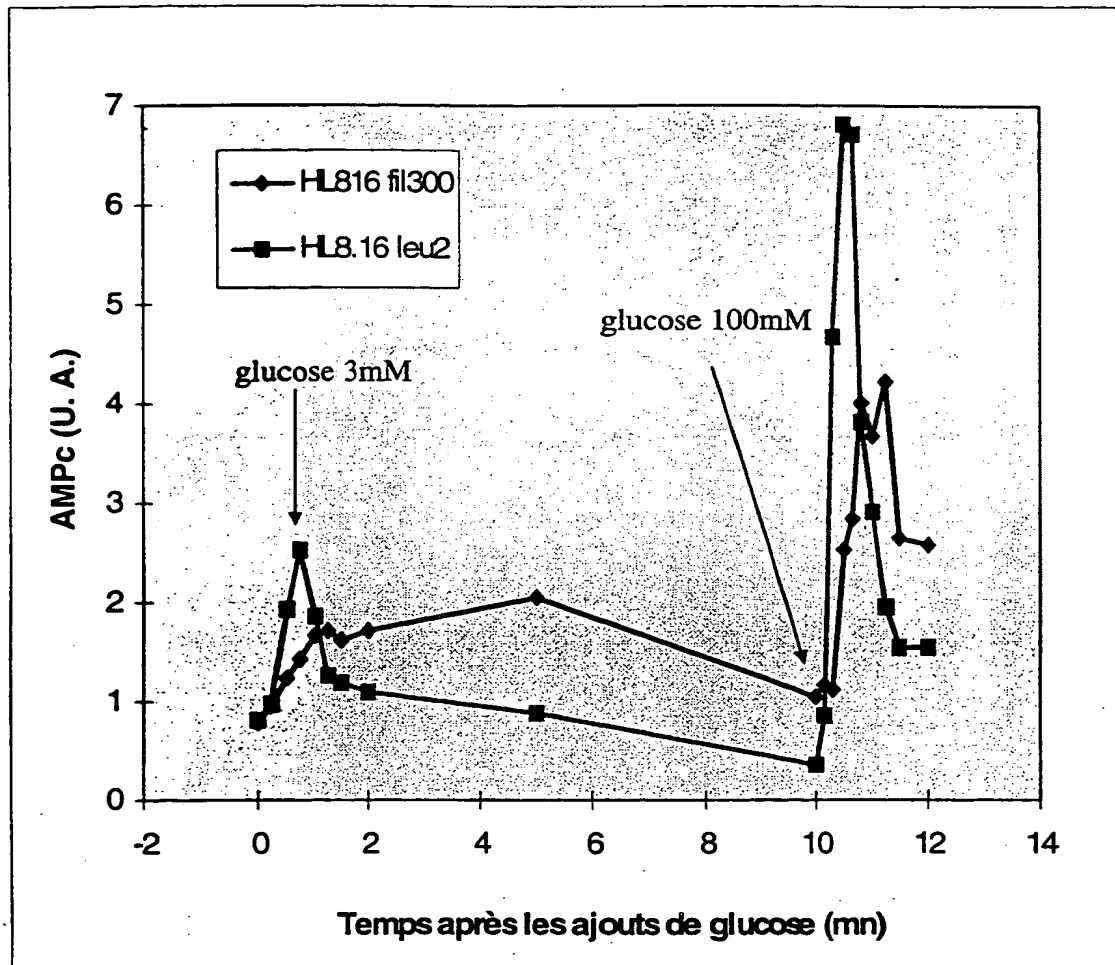


Figure 1-7 : Réponse AMPc (Unités Arbitraires) après induction par le glucose (100 mM) dans les souches HL8.16 leu2 et HL816 fil300 cultivées jusqu'à l'obtention de la phase stationnaire. L'ajout initial de 3 mM de glucose permet de s'affranchir de la réponse AMPc liée à l'acidification intracellulaire.

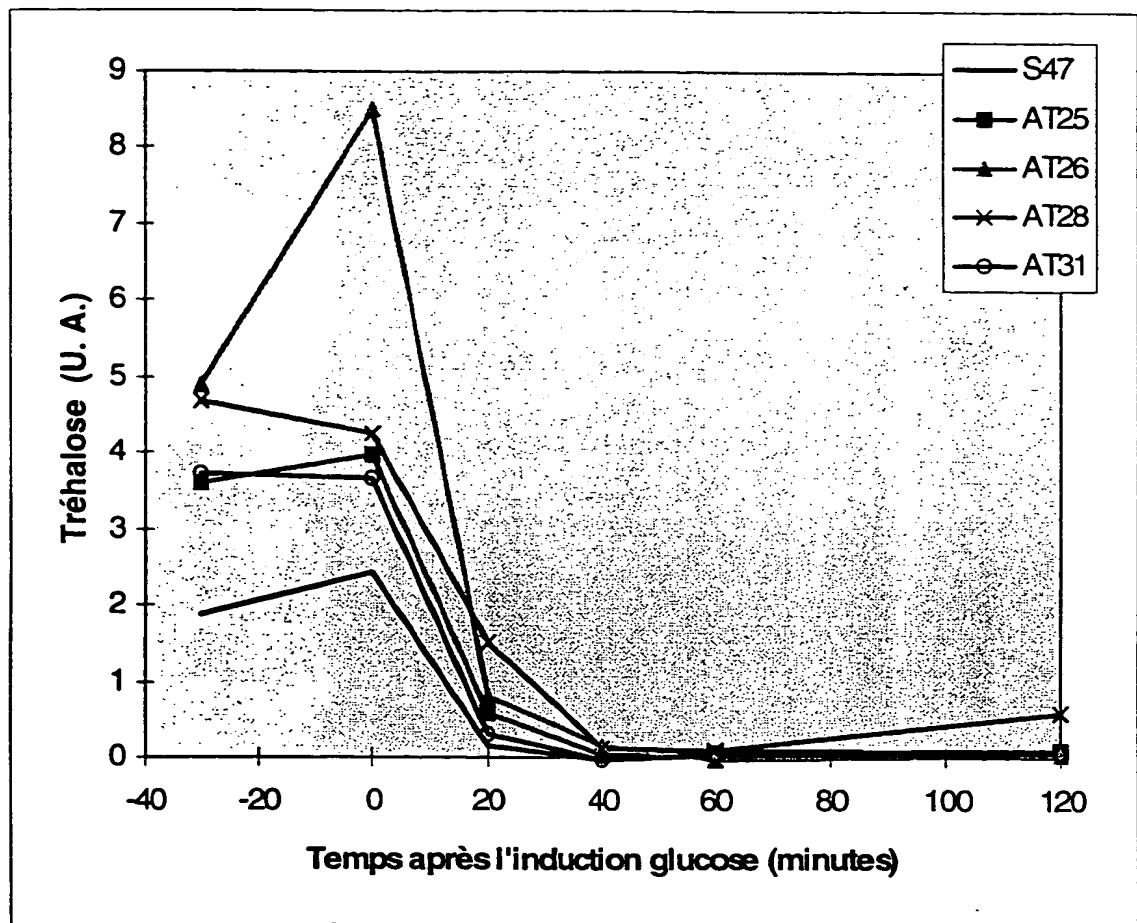


Figure 2-1 : Suivi de la dégradation de tréhalose (Unités Arbitraires) après une induction par le glucose à $t = 0$ (sur des cellules en phase stationnaire).

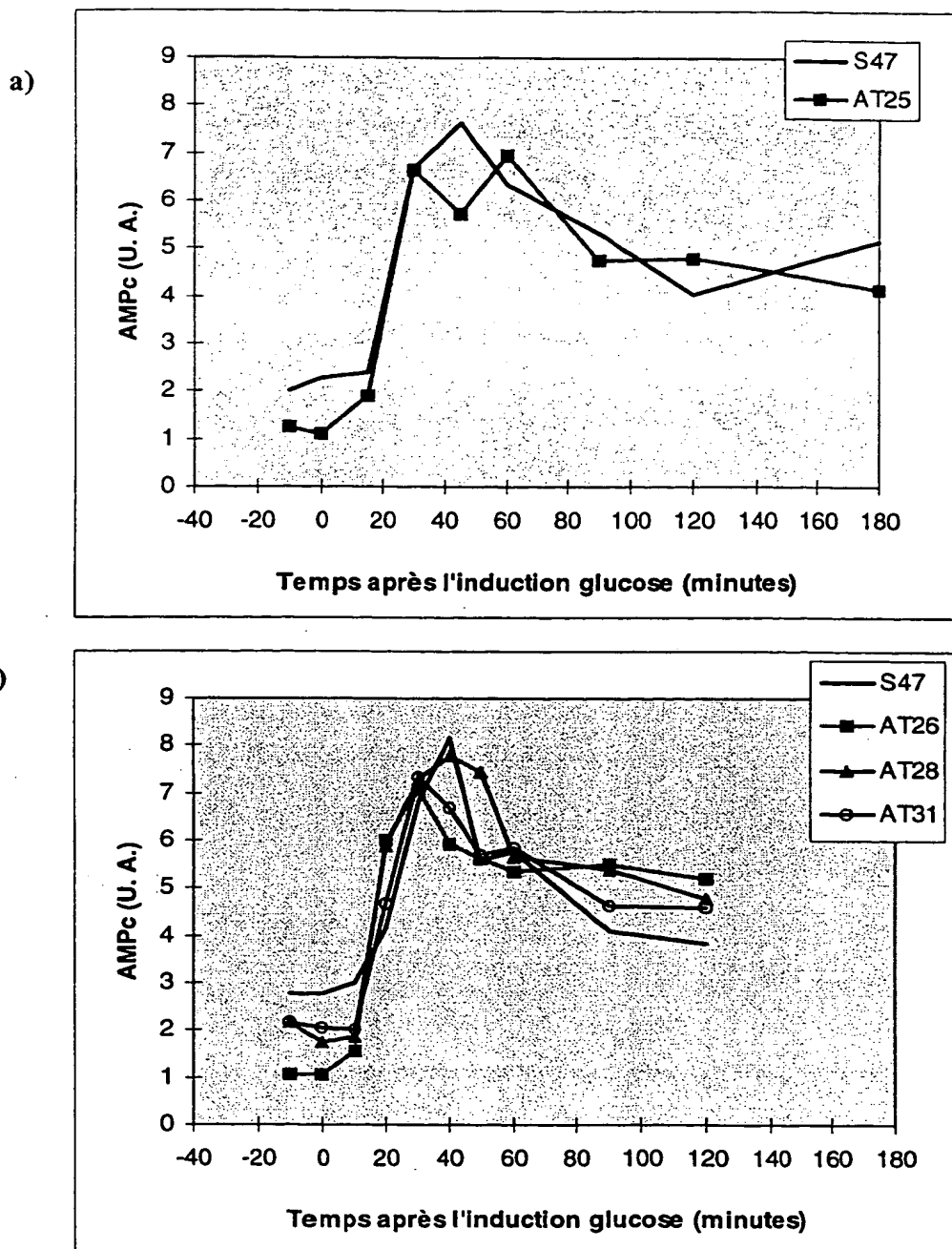


Figure 2-2 : Suivi de la réponse AMPc (Unités Arbitraires) après une induction (à $t = 0$) par le glucose sur des cellules en phase exponentielle de croissance sur maltose. a) témoin S47 et mutant AT25 ; b) témoin S47 et mutants AT26, AT28 et AT31.

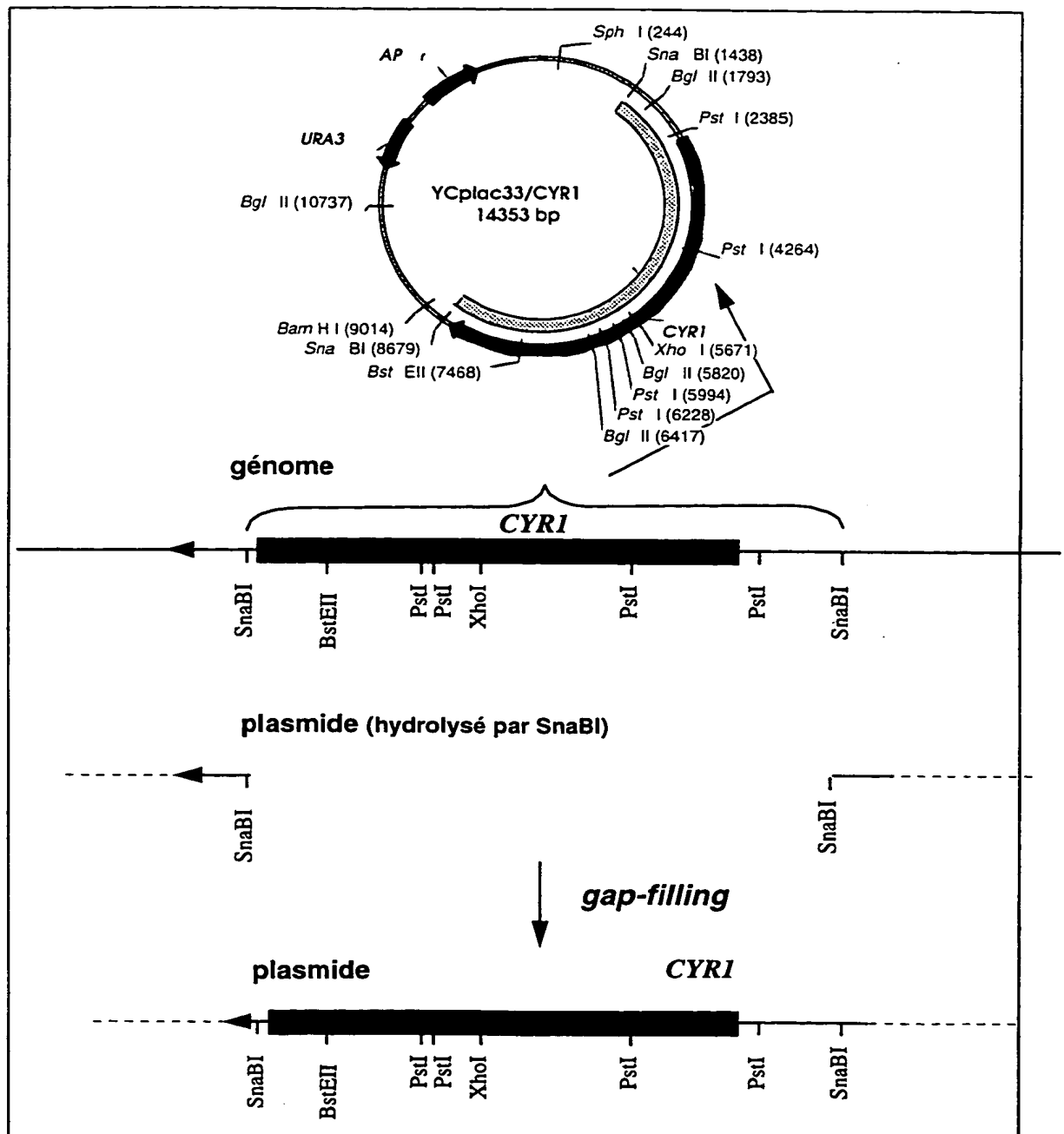


Figure 3-1 : Stratégie de gap-filling utilisée pour l'isolement du gène portant la mutation *fil1* dans la souche PVD1150.

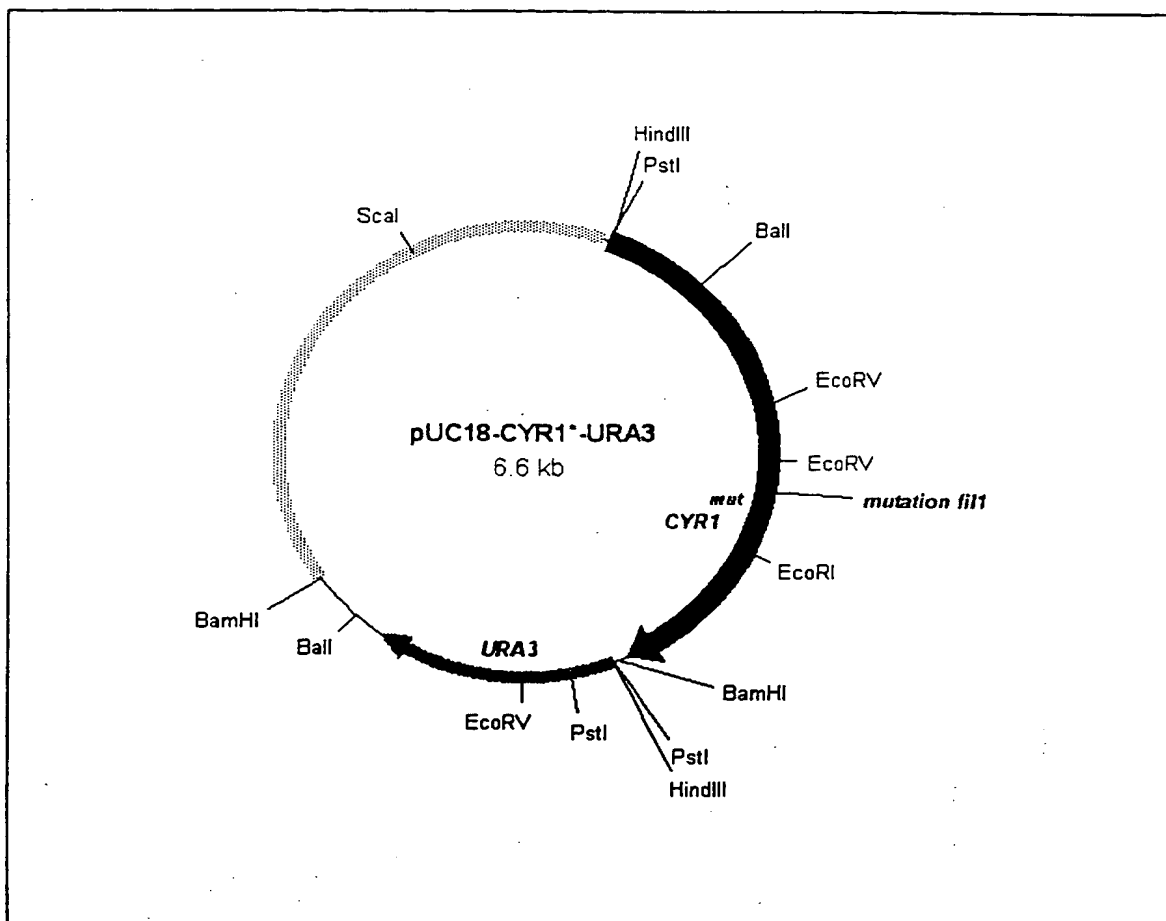


Figure 3-2 : Carte physique du vecteur pUC18-CYR1^{mut}-URA3 [Sn].

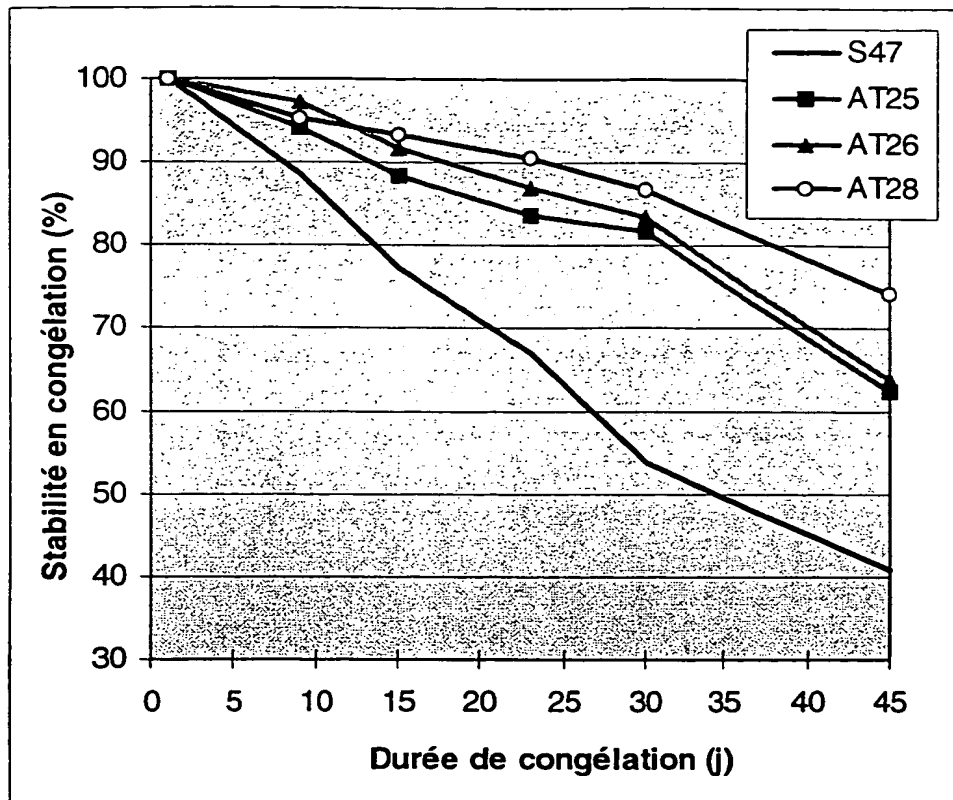


Figure 6-1 : Stabilité en congélation mesurée par le ratio entre la force au jour de mesure et la force après 1 jour de conservation à -20°C.